

● 电子杂志
● 高影响力论文
● 友情链接
访问总次数

今日访问

当前在线

成军, 董菁, 张健, 王建军, 纪冬, 刘妍, 钟彦伟, 王琳. HBV前-S1蛋白结合蛋白大鼠同源基因的克隆化. 世界华人消化杂志 2004年 7月;12(7):1569-1573

HBV前-S1蛋白结合蛋白大鼠同源基因的克隆化

成军, 董菁, 张健, 王建军, 纪冬, 刘妍, 钟彦伟, 王琳.

100039, 北京市西四环中路100号, 中国人民解放军第302医院传染病研究所基因治疗研究中心、全军病毒性肝炎防治研究重点实验室. cj@genetherapy.com.cn

目的: 利用生物信息学(bioinformatics)技术克隆, 鉴定人HBsAg前-S1蛋白结合蛋白(PS1BP)编码基因的同源基因. 方法: 人PS1BP由表达型cDNA文库的噬菌体展示技术筛选获得. 以人的PS1BP的cDNA序列作为参照, 对于美国国立卫生研究院(NIH)国立医学图书馆(NLM)生物工程信息学研究中心(NCBI)建立的核苷酸序列数据库GenBank, 利用同源基因序列比对的在线分析软件BLASTn进行同源基因序列的比对, 发现新的来源于大鼠的同源基因. 确定大鼠PS1BP的cDNA序列之后, 对于大鼠PS1BP蛋白质一级结构序列与人和小鼠的PS1BP蛋白质一级结构序列的同源性进行分析. 利用在线分析软件, 对于大鼠PS1BP一级结构序列中潜在的修饰和功能位点进行初步的预测分析. 结果: 利用噬菌体展示技术获得了人的PS1BP的cDNA序列. 以生物信息学技术确定了大鼠PS1BP的cDNA及其编码产物的序列. 大鼠PS1BP的cDNA由1 455 nt组成, 编码产物由484 aa组成. 大鼠PS1BP蛋白质一级结构与人和小鼠PS1BP蛋白质一级结构的同源性分别为80.79%(391/484)和92.98%(450/484). 利用在线分析软件, 在大鼠PS1BP蛋白质一级结构中还发现了一系列潜在的蛋白质修饰结构位点. 结论: 大鼠PS1BP基因及其编码产物序列被确定.

世界胃肠病学杂志社, 北京百世登生物医学科技有限公司, 100023, 北京市2345信箱, 郎辛庄北路58号院怡寿园1066号

电话: 010-85381892

传真: 010-85381893

E-mail: wjg@wjgnet.com

<http://www.wjgnet.com>

2004-2007年版权归世界胃肠病学杂志社和北京百世登生物医学科技有限公司