

论文

水痘-带状疱疹病毒基因特征分析

李崇山¹, 鲁礼瑞², 陆菁¹, 翁康生¹, 汤素文¹, 丁晓光¹, 刘敏勇¹, 李云逸¹, 胡家瑜¹

1. 上海市疾病预防控制中心, 上海200336; 2. 上海市技术交易所

摘要:

目的对引起上海市某小学水痘暴发的水痘-带状疱疹病毒进行基因特征分析。方法对采集到的患者疱疹液用MRC-5细胞进行病毒分离, 用水痘-带状疱疹病毒标准血清鉴定病毒分离株, 并通过聚合酶链反应-限制性片段长度多态性分析(PCR-RFLP)和序列测定对分离到的病毒进行基因特征分析。结果从采集的5份疱疹液标本中均分离到导致细胞病变的病毒, 经水痘-带状疱疹病毒标准血清中和鉴定, 证实为水痘-带状疱疹病毒; 对分离病毒的ORF22、38、54、62、68等不同区段进行PCR-RFLP或序列测定结果显示: 所有分离到的水痘-带状疱疹病毒均为J基因型野毒株(Bgl I 阳性, Pst I 阳性, Sma I 阳性); 糖蛋白E中3B3抗原决定簇的第150位氨基酸未发现类似北美VZV-MSP株或VZV-BC株的碱基突变。结论 此次水痘暴发是由J基因型水痘-带状疱疹病毒野病毒引起。有41.1%的患者曾经接种过水痘疫苗, 初免失败或者抗体水平下降可能是造成水痘突破的原因。因此有必要对病毒基因特征及水痘疫苗免疫策略进行进一步的研究。

关键词: [水痘-带状疱疹病毒](#); [暴发](#); [免疫策略](#); [J基因型](#)

收稿日期 2008-11-26 修回日期 网络版发布日期

DOI: 10.3784/j.issn.1003-9961.2009.03.005

基金项目:

通讯作者:

作者简介:

本刊中的类似文章

文章评论

反馈人	<input type="text"/>	邮箱地址	<input type="text"/>
反馈标题	<input type="text"/>	验证码	<input type="text"/> 2226

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(1359KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(1KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

本文关键词相关文章

- ▶ [水痘-带状疱疹病毒; 暴发; 免疫策略; J基因型](#)

本文作者相关文章

PubMed