

[本期目录](#) | [下期目录](#) | [过刊浏览](#) | [高级检索](#)

[\[打印本页\]](#) [\[关闭\]](#)

论文

瘦素受体基因 *Gln223Arg* 位点多态性与超重肥胖的相关性研究

何青芳<sup>>1</sup>; 俞敏<sup>>1</sup>; 陈雅萍<sup>>1</sup>; 王云<sup>>2</sup>

1.浙江省疾病预防控制中心,浙江 杭州 310009; 2.宁波市第一人民医院

摘要:

**目的** 探讨瘦素受体(*LEPR*)基因<math>\langle I \rangle</math>*Gln223Arg*</math>多态性与超重肥胖的相关性,以及超重肥胖的相关危险因素。  
**方法** 选取177例对照组和128例体质指数 $\geq 24 \text{ kg/m}^2$ 超重肥胖组作为研究对象作问卷调查、医学体检和血液生化检测,应用聚合酶链反应、限制性片段长度多态性分析(PCR-RFLP)技术分析研究对象*LEPR*基因*Gln223Arg*多态性,Logistic回归分析超重肥胖的危险因素。结果 超重肥胖组的GG基因型频率72.7%,G等位基因频率84.0%,均高于对照组的66.7%和80.2%,但差异无统计学意义( $P>0.05$ )。除腰围在对照组内*Gln223Arg*不同基因型间差异有统计学意义外( $P<0.05$ ),年龄、胆固醇(TC)、甘油三酯(TG)、高密度脂蛋白胆固醇(HDL-C)、血糖(FBG)、总蛋白(TP)、白蛋白(ALB)、尿酸(UA)、血红蛋白(Hb)、收缩压(SBP)、舒张压(DBP)在超重肥胖组内和对照组内*Gln223Arg*不同基因型间差异均无统计学意义( $P>0.05$ )。多因素Logistic回归结果表明,超重肥胖的危险因素主要是腰围和低HDL-C。结论 *LEPR*基因*Gln223Arg*多态性可能与超重肥胖的发生无关。

**关键词:** [瘦素受体基因](#) [多态性](#) [超重肥胖](#) [危险因素](#)

收稿日期 2008-03-24 修回日期 网络版发布日期 2009-02-26

DOI: 10.3784/j.issn.1003-9961.2008.6.378

基金项目:

通讯作者: qfhe@cdc.zj.cn

作者简介:

本刊中的类似文章

文章评论

反馈人	<input type="text"/>	邮箱地址	<input type="text"/>
反馈标题	<input type="text"/>	验证码	<input type="text"/> 7611

扩展功能

本文信息

- Supporting info
- PDF(739KB)
- [HTML全文](1KB)
- 参考文献[PDF]
- 参考文献

服务与反馈

- 把本文推荐给朋友
- 加入我的书架
- 加入引用管理器
- 引用本文
- Email Alert
- 文章反馈
- 浏览反馈信息

本文关键词相关文章

- 瘦素受体基因
- 多态性
- 超重肥胖
- 危险因素

本文作者相关文章

PubMed