

综述

广州管圆线虫cDNA文库基因
筛选的研究进展

510080 广州, 中山大学医学院寄生虫学教研室

收稿日期 修回日期 网络版发布日期 接受日期

摘要 cDNA文库因不含内含子而便于克隆和大量扩增, 利用多种筛选方法并结合生物信息学软件获得阳性克隆, 对于从分子水平上深入研究广州管圆线虫病的致病机制及诊断方法具有重要意义。该文综述了广州管圆线虫各期cDNA文库特异基因筛选的研究进展。

关键词 [广州管圆线虫; cDNA文库; 筛选](#)

分类号

DOI: 10.3760/cma.j.issn.1673 4122.2011.05.013

通讯作者:

詹希美 zhanxm@mail.sysu.edu.cn

作者个人主页:

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF \(4055KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)
- ▶ [参考文献 \[PDF\]](#)

参考文献

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

- ▶ [本刊中 包含“广州管圆线虫; cDNA文库; 筛选”的 相关文章](#)
- ▶ 本文作者相关文章
 - [陈婧 詹希美](#)