

论文

副溶血弧菌TaqMan双重实时-聚合酶链反应检测方法的建立

王海波<sup>1,2</sup>, 王多春<sup>2</sup>, 阚飙<sup>2</sup>, 毕振强<sup>1,3</sup>

1. 山东大学公共卫生学院流行病与卫生统计学教研室, 山东济南250012; 2. 中国疾病预防控制中心传染病预防控制所, 北京102206; 3. 山东省疾病预防控制中心, 山东济南250014

摘要:

目的建立副溶血弧菌TaqMan实时-PCR和毒力基因TaqMan双重实时-PCR筛检的实验室检测方法。方法根据副溶血弧菌*toxR*基因的保守序列设计引物和TaqMan探针, 建立检测副溶血弧菌的实时-PCR方法; 根据副溶血弧菌耐热直接溶血素(thermostable direct hemolysin, *tdh*)和耐热相关溶血素(thermostable related hemolysin, *trh*)基因的保守序列设计引物和探针, 建立检测致病性副溶血弧菌毒力基因的双重TaqMan实时-PCR方法。对所建立的副溶血弧菌实时-PCR检测方法进行灵敏度和特异度评价。结果副溶血弧菌的检测下限为 $2 \times 10^2$ 拷贝/ $\mu$ l, *tdh*和*trh*双重实时PCR的检测下限为 $2 \times 10^2$ 拷贝/ $\mu$ l。针对*toxR*基因建立的副溶血弧菌实时-PCR方法对11种其他弧菌和肠道细菌的染色体无扩增。结论建立的方法能够特异和敏感地检测副溶血弧菌, 并能确定致病性副溶血弧菌的毒力基因, 能作为副溶血弧菌的灵敏和快速检测方法。

关键词: 副溶血弧菌; 聚合酶链反应; 评价研究

收稿日期 2009-02-23 修回日期 网络版发布日期

DOI: 10.3784/j.issn.1003-9961.2009.04.021

基金项目:

通讯作者:

作者简介:

本刊中的类似文章

文章评论

反馈人	<input type="text"/>	邮箱地址	<input type="text"/>
反馈标题	<input type="text"/>	验证码	<input type="text"/> 3281

扩展功能

本文信息

- Supporting info
- PDF(968KB)
- [HTML全文](1KB)
- 参考文献[PDF]
- 参考文献

服务与反馈

- 把本文推荐给朋友
- 加入我的书架
- 加入引用管理器
- 引用本文
- Email Alert
- 文章反馈
- 浏览反馈信息

本文关键词相关文章

- 副溶血弧菌; 聚合酶链反应; 评价研究

本文作者相关文章

PubMed