

论文

间隔区寡核苷酸分型法用于99株结核分枝杆菌杭州临床分离株的基因分型研究

王 勳<sup>1, 2</sup>, 刘志广<sup>1</sup>, 赵秀琴<sup>1</sup>, 董海燕<sup>1</sup>, 刘洁<sup>1</sup>, 张媛媛<sup>1</sup>, 吕冰<sup>1</sup>, 万康林<sup>1</sup>

1. 传染病预防控制国家重点实验室, 中国疾病预防控制中心传染病预防控制所, 北京 昌平, 102206; 2. 杭州市疾病预防控制中心

摘要:

目的 用间隔区寡核苷酸分型(Spoligotyping)鉴定杭州结核分枝杆菌临床分离株的基因分型种类和特征, 为结核病防治研究提供基础科学依据。方法 收集结核分枝杆菌杭州临床分离株, 应用Spoligotyping进行基因分型检测。基因聚类分析采用BioNumerics (Version 5.0) 软件。结果 共在杭州市收集到99株结核分枝杆菌临床分离株, 可分为2个基因群, 即北京家族(Beijing family)和非北京家族(Non-Beijing family), 分别占64.65% (64/99)和35.35% (35/99), 20种基因型, 其中9株为独特类型, 剩余90株分为11簇。北京家族菌株中, 89.06% (57/64)为典型北京家族(Typical Beijing family), 35株非北京家族菌株可分为16个基因型, 10株为独特的基因型。结论 杭州结核分枝杆菌存在明显的基因多态性, 北京家族菌株占优势, 但非北京家族菌株基因多态性更显著。

关键词: [结核分枝杆菌](#) [间隔区寡核苷酸分型](#) [基因分型](#) [北京基因型](#)

收稿日期 2008-03-03 修回日期 网络版发布日期 2008-09-04

DOI: 10.3784/j.issn.1003-9961.2008.5.300

基金项目:

通讯作者: wankanglin@icdc.cn

作者简介:

本刊中的类似文章

- 1. [张选民; 刘志广; 曾令城; 赵秀琴; 等. 西安市结核分枝杆菌耐药性初步调查\[J\]. 疾病监测, 2008,23\(10\): 637-639](#)

文章评论

反 馈 人	<input type="text"/>	邮箱地址	<input type="text"/>
反 馈 标 题	<input type="text"/>	验证码	<input type="text"/> 8955

扩展功能

本文信息

- ▶ [Supporting info](#)
- ▶ [PDF\(1215KB\)](#)
- ▶ [\[HTML全文\]\(1KB\)](#)
- ▶ [参考文献\[PDF\]](#)
- ▶ [参考文献](#)

服务与反馈

- ▶ [把本文推荐给朋友](#)
- ▶ [加入我的书架](#)
- ▶ [加入引用管理器](#)
- ▶ [引用本文](#)
- ▶ [Email Alert](#)
- ▶ [文章反馈](#)
- ▶ [浏览反馈信息](#)

本文关键词相关文章

- ▶ [结核分枝杆菌](#)
- ▶ [间隔区寡核苷酸分型](#)
- ▶ [基因分型](#)
- ▶ [北京基因型](#)

本文作者相关文章

PubMed