

● 电子杂志
● 高影响力论文
● 友情链接
访问总次数

今日访问

当前在线

朱克祥, 李玉民, 李汛, 石斌, 周文策, 单勇, 刘涛, 何雯婷, 俸铁兰. COX-2基因多态性及H pylori感染与胃癌高发区甘肃河西地区胃癌的相关性.

世界华人消化杂志 2008年 7月;16(21):2364-2370

COX-2基因多态性及H pylori感染与胃癌高发区甘肃河西地区胃癌的相关性

朱克祥, 李玉民, 李汛, 石斌, 周文策, 单勇, 刘涛, 何雯婷, 俸铁兰.

730000, 甘肃省兰州市, 兰州大学第一医院普外二科, 肝胆胰外科研究所, 肝移植中心. lmy19621225@hotmail.com

目的: 研究COX-2-899G>C, COX-2codon 587G>A基因多态性在胃癌高发区甘肃河西地区健康人群与胃癌患者的分布, 检测幽门螺旋杆菌(H pylori)在上述人群中的感染情况, 探讨COX-2 -899G>C, COX-2codon587G>A基因多态性以及H pylori感染与河西地区胃癌发生的关系. 方法: 采用PCR-TaqMan探针法检测甘肃河西地区健康人群和胃癌患者COX-2 -899G>C, COX-2codon 587G>A的基因多态性, 用Warhin-starry染色法检测本研究对象的 H pylori感染率. 结果: COX-2-899G>C分为G/G, G/C, C/C三种基因型, 其频率在胃癌患者中分别为72.9%, 21.4%, 5.7%; 在普通人群中分别为84.0%, 12.8%, 3.2%. 与G/G基因型相比, COX-2-899*C基因携带者患胃癌的风险增加(OR = 1.956, 95% CI: 1.067-3.586). COX-2 codon587G>A三种基因型为G/G, G/A, A/A, 其频率在胃癌患者中分别为86.4%, 11.4%, 2.2%; 在健康人群中分别为89.6%, 9.6%, 0.8%. COX-2codon 587G>A三种基因型在胃癌组和健康对照组间无显著性差别. H pylori感染率在胃癌组和对照组分别为68.6%, 50.4%, 两组间具有显著差异(P = 0.003). 分层分析提示COX-2 -899*C基因携带者若同时伴有H pylori感染, 其患胃癌的风险明显增加(OR = 2.471, 95% CI: 1.076-5.675). 结论: COX-2 -899G>C的C等位基因增加我国胃癌高发区甘肃河西地区胃癌发病的风险, 而且与H pylori感染对胃癌的发病有一定的协同作用; COX-2 codon 587G>A基因多态性与甘肃河西地区胃癌的易感性无关.

世界胃肠病学杂志社, 北京百世登生物医学科技有限公司, 100023, 北京市2345信箱, 郎辛庄北路58号院怡寿园1066号

电话: 010-85381892

传真: 010-85381893

E-mail: wjg@wjgnet.com

http://www.wjgnet.com

2004-2007年版权归世界胃肠病学杂志社和北京百世登生物医学科技有限公司