

● 电子杂志
● 高影响力论文
● 友情链接
访问总次数

今日访问

当前在线

邱福铭, 宋永茂, 黄建, 郑树. BAT-26预测散发性大肠癌的复制错误.
世界华人消化杂志 2004年 6月;12(6):1461-1463

BAT-26预测散发性大肠癌的复制错误

邱福铭, 宋永茂, 黄建, 郑树.

310009, 浙江省杭州市解放路88号, 浙江大学医学院附属第二医院肿瘤科. hjys@zju.edu.cn

目的: 微卫星不稳定(microsatellite instability MSI)是DNA复制错误(replication error RER+)的标记, BAT-26系位于错配修复基因hMSH2中的单腺苷酸重复序列位点, 曾被报道无需正常对照就可用于预测散发性大肠癌RER+状况, 我们选择BAT-26并与其他双核苷酸重复序列位点进行比较加以验证与评价. 方法: 经病理确诊的散发性大肠癌肿瘤组织60例, 常规抽提DNA, 采用PCR-银染法分析6个(CA)_n双碱基重复微卫星序列和BAT-26位点, 并用自动荧光DNA序列分析法检测BAT-26; 同时以PCR-SSCP法检测RER+病例hMSH2基因5, 7, 8, 12, 13, 15外显子突变; RER+判断依6个(CA)_n位点中出现2个或以上MSI为标准. 结果: RER+散发性大肠癌占18%(11/60), 6例RER+肿瘤检出hMSH2基因突变. 含hMSH2基因突变的6例RER+病例中有3例BAT-26不稳定(BAT-26+), 44例RER-散发性大肠癌均为BAT-26-. 与(CA)_n位点结果比较, BAT-26预测RER+的阳性符合率为50%, 阴性符合率为100%, BAT-26+在预测散发性大肠癌RER+特异性为100%, 敏感性为50%. PCR-银染和自动荧光DNA序列分析两种方法检测BAT-26 MSI结果一致. 结论: 单用BAT-26作为预测RER+状况的指标尚有缺陷, 需结合其他微卫星位点进行综合分析.

世界胃肠病学杂志社, 北京百世登生物医学科技有限公司, 100023, 北京市2345信箱, 郎辛庄北路58号院怡寿园1066号

电话: 010-85381892

传真: 010-85381893

E-mail: wjg@wjgnet.com

http: //www.wjgnet.com

2004-2007年版权归世界胃肠病学杂志社和北京百世登生物医学科技有限公司