

● 电子杂志
● 高影响力论文
● 友情链接
访问总次数

今日访问

当前在线

杨婕, 胡志斌, 徐耀初, 沈靖, 钮菊英, 胡旭, 郭剑涛, 沈洪兵. IL-1B及IL-1RN基因多态性与胃癌易感性的关系. 世界华人消化杂志 2004年 8月;12(8):1769-1773

IL-1B及IL-1RN基因多态性与胃癌易感性的关系

杨婕, 胡志斌, 徐耀初, 沈靖, 钮菊英, 胡旭, 郭剑涛, 沈洪兵.

210029, 江苏省南京市汉中路140号, 南京医科大学公共卫生学院流行病与生物统计学系. hbshen@njmu.edu.cn

目的: 获取白介素1B(IL-1B)基因启动子区域C-31T, C-511T, C+3954T位点单核苷酸多态性和白介素1受体拮抗剂(IL-1RN)基因串联重复多态性在江苏高发区人群胃癌患者与健康对照中的频率分布资料, 初步探讨其各基因型与胃癌易感性的关系. 方法: 采用人群为基础的病例对照研究方法, 共收集285例胃癌患者与265例性别、年龄和地区频数匹配的对照外周血标本, 同时调查流行病学资料. 从外周血提取基因组DNA, 以聚合酶链式反应-限制性片段长度多态性(PCR-RFLP)方法对各位点进行基因分型. 结果: IL-1B基因-31位点3种基因型CC, CT, TT在胃癌病例组中频率分别为21.8%, 48.6%和29.6%; 在对照组中为27.9%, 48.8%和23.3% (P=0.203). 相似的, -511位点TT, CT, CC基因型在病例与对照组中频率分别为18.2%, 56.5%, 25.3%和24.9%, 52.5%, 22.3% (P=0.184). 在调整年龄、性别等因素后, 携带-31TT基因型者比CC型胃癌发生的危险性增加75% (P=1.75, 95%CI=1.08-2.85); 携带-511CC基因型者比TT型危险性增加63% (P=1.63, 95%CI=0.98-2.73). 分层分析表明, 这一危险性在H pylori感染阳性人群中更为显著. IL-1RN和IL-1B +3954位点各基因型在病例与对照组中的分布没有显著性差异. 结论: IL-1B基因启动子区域-31, -511位点多态性可能与中国人胃癌易感性相关, 尤其在H pylori 感染人群中.

世界胃肠病学杂志社, 北京百世登生物医学科技有限公司, 100023, 北京市2345信箱, 郎辛庄北路58号院怡寿园1066号

电话: 010-85381892

传真: 010-85381893

E-mail: wjg@wjgnet.com

http: //www.wjgnet.com

2004-2007年版权归世界胃肠病学杂志社和北京百世登生物医学科技有限公司