

CML相关TCRV α 亚家族T细胞的克隆性分布特点

陈思,李扬秋,陈少华,杨力建,卢育洪

510632 广州,暨南大学医学院血液病研究所

Analysis of Clonal Expansion of TCR V α Subfamily T Cells Associated with CML

CHEN Si ,LI Yang-qiu ,CHEN Shao-hua ,YANG Li-jian ,LU Yu-hong

Institute of Hematology , Medical College , Ji'nan University , Guangzhou 510632 , China

- 摘要
- 参考文献
- 相关文章

全文: PDF (373 KB) HTML (0 KB) 输出: BibTeX | EndNote (RIS) 背景资料

摘要

目的 了解慢性粒细胞白血病(CML)患者外周血TCR V α 亚家族T细胞的克隆性分布特点。方法 采用RT-PCR扩增10例CML患者外周血的单个核细胞的TCR V α 29个亚家族基因,分析其TCR V α 亚家族的利用情况。PCR产物进一步经基因扫描分析,了解其CDR3长度以判断T细胞的克隆性。结果 不同病人外周血中所能检测出的V α 亚家族数量不等(1~21个),以V α 3、V α 4、V α 8、V α 10和V α 14为常见,并在V α 1、V α 2、V α 3、V α 4、V α 5、V α 8、V α 10、V α 12、V α 14、V α 15、V α 16、V α 19、V α 21和V α 23中发现克隆性生长T细胞。结论 CML病人外周血T细胞的TCR V α 亚家族选用呈现明显的选择性并出现克隆性T细胞,这可能与机体对白血病相关抗原产生特异性免疫有关,且克隆性增殖V α 亚家族分布以个体特异性为主。

关键词: TCRV α 基因 T细胞克隆性 慢性粒细胞白血病 RT-PCR 基因扫描

Abstract: Objective To investigate the distribution and clonality of TCR V α subfamily T cells in patients with chronic myeloid leukemia (CML). Methods The CDR3 size of TCR V α 29 subfamily genes was amplified in peripheral blood mononuclear cells from 10 cases with CML using RT-PCR, to observe the usage of TCR V α repertoire, the PCR products were further analyzed by genescan technique for detection of the CDR3 size, to evaluate clonality of TCR V α T cells. Results 1~21 V α subfamily T cells could be identified from different samples in CML cases, predominantly in V α 3, 4, 8, 10, 14. Oligoclonal (clonal expansion) T cells were identified in V α 1, 2, 3, 4, 5, 8, 10, 12, 14, 15, 16, 19, 21 and 23 subfamilies. Conclusion The selected usage and clonal expansion of TCR V α subfamily T cells from peripheral blood could be found in patients with CML, it may be related to CML associated-antigen. Distribution of V α subfamily clonal expansion displays individual specificity.

Key words: TCRV α gene T cell Chronic myeloid leukemia RT-PCR Genescan

收稿日期: 2006-09-11;

通讯作者: 陈思

引用本文:

陈思,李扬秋,陈少华等. CML相关TCRV α 亚家族T细胞的克隆性分布特点[J]. 肿瘤防治研究, 2007, 34(3): 168-170.

CHEN Si,LI Yang-qiu,CHEN Shao-hua et al. Analysis of Clonal Expansion of TCR V α Subfamily T Cells Associated with CML[J]. CHINA RESEARCH ON PREVENTION AND TREATMENT, 2007, 34(3): 168-170.

服务

- 把本文推荐给朋友
- 加入我的书架
- 加入引用管理器
- E-mail Alert
- RSS

作者相关文章

- 陈思
- 李扬秋
- 陈少华
- 杨力建
- 卢育洪

没有本文参考文献

[1] 杨光华;赵晶;李磊;王天阳;张小艳;吕春秀;王凤安. BAG-1在大肠癌中的表达及其临床意义[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(1): 71-74.

[2] 黄少军;程正江;汪晶晶. 胃肠肿瘤患者手术前后外周血survivin mRNA定量检测的临床意义 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(9): 1050-1052.

[3] 张德才;张景华;汪萍;何津;刘远廷;马杰;牛凤玲. 乳腺癌组织中Id1基因mRNA的表达及其与临床病理的关系[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(7): 780-783.

- [4] 孙晓宏;庞作良;罗洞波. 转录水平环氧合酶-2在食管癌中的表达及临床意义 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(7): 830-831.
- [5] 王剑平;孙凯;雷尚通;吴承堂 . miR-221在结直肠癌中的表达及意义[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(11): 1276-1279.
- [6] 高书颖;李恩民;陆晓峰;杜则澎;许丽艳 . siRNA干扰ERK1/2表达对食管癌细胞 *ezrin* 基因的转录调控作用[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(5): 491-494.
- [7] 李菊香;陈少华;杨力建;林春兰;李扬秋;. B细胞非霍奇金淋巴瘤患者TCR ζ 基因的表达特点[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(5): 547-550.
- [8] 李丽华;王熙才;邱宗海;李 新;刘 馨;伍治平;金从国;李 勇;左曙光 . 云南元宝枫黄酮诱导个旧肺鳞癌细胞YTMILC凋亡的实验研究[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(4): 382-386.
- [9] 桑梅香;单保恩;耿翠芝;杨瑞玲;王 玲. 肿瘤抗原MAGE-A4在乳腺癌组织和细胞系中的表达及其作用[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(4): 407-410.
- [10] 张红新;郑湘予;陈奎生;张 岚;高冬玲;张云汉. 利用siRNA抑制食管癌VEGF-C的表达[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(2): 132-135.
- [11] 胡建功;邢恩鸿;李秀英;王宁. OGFR mRNA在乳腺浸润性导管癌中的表达[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(11): 1258-1260.
- [12] 余 莉;邹 潘;杨桂玲;戴育成;吴 琼;杨碧云;李 洁. 脂质体RNA负载慢性粒细胞白血病来源树突状细胞的性能比较[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(1): 47-51.
- [13] 周亚南;陈子兴;小池健一;坂下一夫;岑建农;姚 利 . Notch 信号通路相关基因的mRNA在急性B淋巴细胞白血病中的表达[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(08): 897-901.
- [14] 王建东;董迎春;周晓军;盛 素;章如松;马恒辉;陆珍凤;卢光明 . EphA1基因在结直肠癌中的表达及临床意义[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(07): 813-817.
- [15] 王洪兴;李娜;秦川;张洁. FEZ1蛋白和mRNA在胃癌组织中的表达及其意义[J]. 肿瘤防治研究, 2009, 36(6): 497-499.

鄂ICP备08002248号

版权所有 © 《肿瘤防治研究》编辑部

本系统由北京玛格泰克科技发展有限公司设计开发 技术支持: support@magtech.com.cn