

我学者发现白血病新抑癌基因

2014年02月18日

我国科学家近期主导研究发现了一个在急性白血病患者中有较常见突变的抑癌基因，且揭示了其功能异常与多种不同致癌基因之间的协同作用，为研发白血病新的治疗药物和方法提供了重要基础。研究成果2月10日在国际著名学术期刊《自然·遗传》上发表。

该研究是在国家自然科学基金委、科技部、中国科学院以及天津市科委多个重点基金的资助下，由中国医学科学院血液学研究所教授程涛、竺晓凡和中国科学院北京基因组研究所研究员王前飞等率领的多个团队合作完成的。他们通过对一个混合谱系白血病（MLL）患者及其正常同卵双胞胎的血细胞进行全基因组测序，发现了罕见的功能性MLL-NRIP3致癌基因和H3K36三甲基化的组蛋白甲基转移酶SETD2的遗传突变。

程涛说，MLL发生率占婴儿白血病的70%、急性髓系白血病的10%以上，带有MLL重排基因的患者预后差别较大。通常认为，这与除MLL融合基因以外的变异基因有较大关系。该研究表明，SETD2是白血病的新抑癌基因，而且SETD2-H3K36 me3通路的功能破坏是白血病发生发展的一种新的表观遗传机制。

当前癌症研究的主要挑战之一就是弄清多种致癌基因或机制如何协同导致细胞恶变。该发现将促进对白血病乃至其他癌症发病机制的认识，有助于临床药物开发。

来源：中国医药报

作者：新华

责编：kthh

字号  [大 中 小] 【推荐给朋友】 【关闭窗口】

 [相关文章](#)

版权所有 [食品药品安全网](#)

地址：北京市海淀区文慧园南路甲2号 邮编：100082

电话：(010)62265202

京ICP备 09082713号