



位置: [首页](#) >> [期刊文章](#)

## NS5ATP9抑制血清饥饿诱导的HepG2细胞凋亡

作者: [赵崇山](#) [刘顺爱](#) [王琦](#) [张锦前](#) [赵龙凤](#) [成军](#)

单位: [山西医科大学第一医院感染病科](#) [首都医科大学附属北京地坛医院传染病研究所](#)

关键词: [NS5ATP9基因](#) [细胞凋亡](#) [线粒体](#)

分类号:

出版年,卷(期):页码: 2012,6(2):88-92

摘要:

**【摘要】** 目的 探讨HCV NS5A反式激活基因NS5ATP9对肝癌细胞系HepG2细胞凋亡的影响。方法 将NS5ATP9基因表达质粒、NS5ATP9干扰RNA质粒及各自的对照空质粒转染到HepG2细胞系,48 h后换无血清培养基培养24 h诱导凋亡,用实时荧光定量PCR验证转染后NS5ATP9mRNA表达水平的变化,用Annexin V/7-AAD流式细胞术检测细胞凋亡,JC-1检测线粒体膜电位,Western blot检测Bax蛋白表达,以观察NS5ATP9对HepG2细胞血清饥饿诱导凋亡的影响。结果 Annexin V/7-AAD检测结果显示,NS5ATP9过表达组和对照组相比早期凋亡和总凋亡率显著减少( $P < 0.05$ );而NS5ATP9干扰RNA组的早期凋亡、晚期凋亡和总凋亡率均显著增加( $P < 0.05$ )。JC-1检测结果显示,NS5ATP9过表达组和对照组相比线粒体膜电位保持正常形式的比例增加,而出现去极化电位形式的比例显著减少( $P < 0.05$ ), $\Delta\psi_m$ 有增高趋势;而NS5ATP9干扰RNA组线粒体膜电位保持正常形式的比例显著减少( $P < 0.05$ ), $\Delta\psi_m$ 有降低趋势。促凋亡分子Bax蛋白Western blot检测结果显示,NS5ATP9干扰RNA组Bax表达量显著上升( $P < 0.05$ ),NS5ATP9过表达组Bax表达量则有下降趋势。结论 NS5ATP9基因抑制血清饥饿诱导的HepG2细胞凋亡,其机制可能是通过线粒体途径。

基金项目:

作者简介:

参考文献:

服务与反馈:

[【文章下载】](#) [【加入收藏】](#)