

## 基因富集及meta分析筛选 非小细胞肺癌发生发展关键基因的研究

Wenwu HE, Lei XIAN, Yongyong WANG, Yanling HU, Mingwu CHEN

### 摘要

**背景与目的** 非小细胞肺癌 (non-small cell lung cancer, NSCLC) 是全球最常见的恶性肿瘤之一, 其发病遗传机制仍不清楚。本研究旨在筛选影响NSCLC发生发展的关键基因和通路, 为NSCLC发病遗传机制及靶向治疗的研究奠定科学基础。**方法** 运用基因组富集分析 (gene set enrichment analysis, GSEA) 以及对单套数据集单个基因元分析 (meta-analysis, meta) 的方法, 筛选出在转录水平上影响NSCLC发生发展的关键通路和基因。**结果** 通过GSEA和meta两种分析方法得出的通路中, 重叠性较高的主要为粘着斑通路和细胞骨架肌动蛋白调控通路。在粘着斑通路中31个基因具有统计学意义 ( $P < 0.05$ ); 细胞骨架肌动蛋白调控通路中32个基因具有统计学意义 ( $P < 0.05$ )。**结论** 粘着斑通路和细胞骨架肌动蛋白调控通路可能与NSCLC的发生发展有重要的联系, 后续本研究小组将对这两条通路中的具有统计学意义的基因进行生物功能学上的验证。

DOI: 10.3779/j.issn.1009-3419.2012.07.05

### 关键词

肺肿瘤; 基因富集; meta分析; 通路; 关键基因

全文: [PDF](#) [HTML](#)



## ARTICLE TOOLS

- 索引源数据
- 如何引证项目
- 查找参考文献
- 审查政策
- Email this article (Login required)

## RELATED ITEMS

Related studies  
[Databases](#)  
[Web search](#)  
 Show all

## ABOUT THE AUTHORS

**Wenwu HE**  
530021 南宁, 广西医科大学第一附属医院心胸外科 (通讯作者: 陈铭伍,  
E-mail: chen535@126.com)

**Lei XIAN**  
530021 南宁, 广西医科大学第一附属医院心胸外科 (通讯作者: 陈铭伍,  
E-mail: chen535@126.com)

**Yongyong WANG**  
530021 南宁, 广西医科大学第一附属医院心胸外科 (通讯作者: 陈铭伍,  
E-mail: chen535@126.com)

**Yanling HU**  
530021 南宁, 广西医科大学第一附属医院心胸外科 (通讯作者: 陈铭伍,

E-mail:  
chen535@126.com)

*Mingwu CHEN*  
530021 南宁, 广西医科  
大学第一附属医院心胸外  
科 (通讯作者: 陈铭伍,  
E-mail:  
chen535@126.com)