

支气管上皮细胞系BEP2D恶性转化过程中p16基因甲基化改变研究

Wen ZHANG, Yu'e SUN, Qing CAI, Guangming LU

摘要

目的 研究人支气管上皮细胞系BEP2D恶性转化过程中p16基因甲基化改变以及p16基因mRNA转录情况,方法选取正常人支气管上皮细胞系BEP2D及其经 α 粒子照射20周(R-20)、21周(R-21)、35周(T-35)和54周(T-54)的BEP2D细胞株作为研究对象(其中R-20、R-21未发生恶性转化,而T-35、T-54已发生恶性转化),采用甲基化特异性PCR(methylation-specific PCR, MSP)检测各细胞株中p16基因的甲基化改变情况,再运用半定量反转录PCR(retro-translation PCR, RT-PCR)检测p16基因mRNA在各细胞株中的表达情况,结果 ①正常BEP2D细胞株p16基因未发生甲基化,而R-20、R-21、T-35和T-54细胞的p16基因均发生了甲基化改变,②与正常BEP2D细胞相比,R-20、R-21、T-35和T-54细胞p16基因mRNA转录水平均降低,结论 p16基因甲基化改变发生在肺癌形成的早期阶段,p16基因甲基化可导致p16基因mRNA转录水平降低。

DOI: 10.3779/j.issn.1009-3419.2003.05.07

全文: PDF



ARTICLE TOOLS

- 索引源数据
- 如何引证项目
- 查找参考文献
- 审查政策
- Email this article (Login required)

RELATED ITEMS

- Related studies Databases Web search
- Show all

ABOUT THE AUTHORS

Wen ZHANG

Yu'e SUN

Qing CAI

Guangming LU