

论著

5, 10-亚甲基四氢叶酸还原酶基因C677T多态性与先天性心脏病关系的Meta分析

余章斌, 韩树萍, 郭锡熔

收稿日期 2009-5-9 修回日期 网络版发布日期 2009-5-9 接受日期 2009-5-9

**摘要** 摘要 目的 对5,10 亚甲基四氢叶酸还原酶 (MTHFR) 基因C677T多态性与先天性心脏病 (CHD) 的相关性研究进行Meta分析。方法 制定原始文献的纳入标准及检索策略, 检索PubMed、EMBASE、Ovid、Springer、中国期刊全文数据库、维普中文科技期刊数据库、万方数据库和中国生物医学文献数据库 (1994年1月至2009年1月) 中的文献, 收集MTHFR基因C677T多态性与CHD相关性的病例 对照研究, 剔除不符合要求的文献, 应用RevMan 4.2软件进行Meta分析, 得出合并后的OR值及其95%CI。结果 共18篇文献符合纳入标准进入Meta分析。数据合并结果显示, 子代MTHFR基因 677位点TT/CC和(TT+CT)/CC与CHD易感性有统计学意义, OR值 (95%CI) 分别为1.55 (1.24~1.93) 和1.23 (1.06~1.42),  $P < 0.05$ ; 子代MTHFR基因677位点CT/CC与CHD易感性无统计学意义, OR值 (95%CI) 为1.15 (0.99~1.34),  $P > 0.05$ 。父亲MTHFR基因677位点TT/CC和(TT+CT)/CC与子代CHD的易感性有统计学意义, OR值 (95%CI) 分别为1.84 (1.23~2.74) 和1.33 (1.04~1.71),  $P < 0.05$ ; 父亲MTHFR基因677位点CT/CC与子代CHD易感性无统计学意义, OR值 (95%CI) 为1.25 (0.96~1.62),  $P > 0.05$ 。母亲MTHFR基因677位点TT/CC、CT/CC和(TT+CT)/CC与子代CHD易感性均无统计学意义, OR值 (95%CI) 分别为1.20 (0.92~1.56)、1.03 (0.86~1.24) 和1.07 (0.90~1.27),  $P > 0.05$ 。传递不平衡分析未发现在CHD核心家系的MTHFR基因677位点存在突变的传递不平衡现象, OR值为0.90 (95%CI: 0.79~1.12),  $P > 0.05$ 。结论 子代MTHFR基因677位点TT和TT+CT为CHD的危险因素之一; 父亲MTHFR基因677位点TT和TT+CT是子代CHD的危险因素之一; 母亲MTHFR基因677位点多态性与子代CHD的发生无关。

**关键词** [5,10-亚甲基四氢叶酸还原酶](#) [先天性心脏病](#) [基因多态性](#) [Meta分析](#)

分类号

**DOI:**

通讯作者:

作者个人主页: 余章斌; 韩树萍; 郭锡熔

扩展功能

本文信息

▶ [Supporting info](#)

▶ [PDF \(4399KB\)](#)

▶ [\[HTML全文\] \(0KB\)](#)

▶ [参考文献 \[PDF\]](#)

▶ [参考文献](#)

服务与反馈

▶ [把本文推荐给朋友](#)

▶ [加入我的书架](#)

▶ [加入引用管理器](#)

▶ [引用本文](#)

▶ [Email Alert](#)

▶ [文章反馈](#)

▶ [浏览反馈信息](#)

相关信息

▶ [本刊中 包含“5,10-亚甲基四氢叶酸还原酶”的 相关文章](#)

▶ 本文作者相关文章

· [余章斌](#)

· [韩树萍](#)

· [郭锡熔](#)