

BAG家族基因表达与肺腺癌易感性的相关性研究

Ying LI, Hongyu LIU, Jing WANG, Yongwen LI, Heng WU, Xinxin DU, Weiqiang WANG, Jiao YUE, Qinghua ZHOU, Jun CHEN

摘要

背景与目的 BAG (Bcl-2-associated athanogene) 家族是一个多功能的抗凋亡家族, 其表达与多种肿瘤的发病及预后相关。BAG基因是近年发现的抗凋亡基因家族, 调节各种生理过程, 包括细胞凋亡、肿瘤发生、神经分化、应激反应和细胞周期等。BAG家族的表达状态与某些肿瘤的发病和预后相关。本研究的目的是探讨 BAG家族基因表达水平与肺腺癌易感性的关系, 在分子水平探讨肺腺癌发病的相关危险因素。方法 采用基因表达谱芯片技术检测29例肺腺癌患者癌组织及癌旁肺组织BAG家族基因的表达, 应用配对t检验和Cox回归拟合单因素条件Logistic回归方法。并利用美国GEO数据库验证相关结果。结果 BAG-1、BAG-2、BAG-5基因在癌旁肺组织中表达高于癌组织且为肺腺癌发生的保护因素 (P < 0.05, OR < 1); BAG-4基因在癌组织中表达高于癌旁肺组织且为肺腺癌发生的危险因素 (P < 0.05, OR > 1); BAG-3基因在癌组织及癌旁正常组织表达差别无统计学意义 (P > 0.05)。结论 BAG-1、BAG-2、BAG-5基因可能是为肺腺癌发生的保护性因素, BAG-4基因可能是为肺腺癌发生的危险性因素。

DOI: 10.3779/j.issn.1009-3419.2010.10.03

全文: PDF HTML

Get Permission
ADD THIS

 <p>主编 Qinghua Zhou Yan Sun www.thoraciccancer.net</p>	 <p>Chinese Journal of Lung Cancer</p>
	
 <p>肿瘤防治研究 CANCER RESEARCH ON PREVENTION AND TREATMENT</p>	 <p>Pioneer Bioscience Publishing Company PBPC www.thePBPC.org</p>
	

ARTICLE TOOLS

- 索引源数据
- 如何引证项目
- 查找参考文献
- 审查政策
- Email this article (Login required)

RELATED ITEMS

Related studies
Databases
Web search
Show all

ABOUT THE AUTHORS

- Ying LI
- Hongyu LIU
- Jing WANG
- Yongwen LI
- Heng WU
- Xinxin DU
- Weiqiang WANG
- Jiao YUE
- Qinghua ZHOU

