肿瘤防治研究 2011, Vol. 38 Issue (3): 337-340 DOI: 10.3971/j.issn.1000-8578.2011.03.027

湖北地区HPV16 E7和E5基因突变与宫颈 病变的相关性

王华[1*]，蔡红兵[1]，丁晓华[2]

1.430071武汉，武汉大学中南医院妇瘤科；2.武汉大学医学院病毒研 究所（*现工作单位：441100 湖北襄阳，襄阳市第一人民医院妇产科）

Association of Mutations in Human Papillomavirus Type 16 E7 and E5 Genes with Cervical Lesion in Hubei

WANG Hua[1*], CAI Hong-bing[1]，DING Xiao-hua[2]

1. Department of Gynecological Oncology, Zhongnan Hospital, Wuhan University, Wuhan 430071, China；2. Virology Institute of Medical College, Wuh University(*Present:Department of obstetric and Gynecologic,Xiang yang No.1 People s Hospital,Xiang yang 441100,China)

- 摘要
- 参考文献
- 相关文章

全文: PDF (411 KB) HTML (0 KB) 输出: BibTeX | EndNote (RIS) 背景资料

摘要 摘要：目的分析湖北地区宫颈病变组织中HPV16 E7和E5基因序列变异及该变异与宫颈病变的相关关系。方法对HPV16 E7和E5 DNA阳性的20例正常宫颈、30例CIN Ⅰ~Ⅱ、30例CINⅢ和35例宫颈鳞癌的基因片段进行纯化测序，检测基因变异。结果除了HPV16 E7和E5原型序列以外，HPV16 E7最常见变异为A647G和T846C的联合变异株，该联合变异株频率在正常宫颈、CIN Ⅰ~Ⅱ、CINⅢ和鳞癌组中突变率分别为25%、30%、53.3%、62.9%；HPV16 E5最常见变异为A3979C +A4042G联合变异株，联合变异株在正常宫颈、CIN Ⅰ~Ⅱ、CINⅢ组和鳞癌组中突变率分别为30%、33.3%、56.7%、71.4%；HPV16 E7和E5联合突变株在宫颈病变各阶段差异有统计学意义。结论HPV16 E7.A647G / T846C和HPV16 E5.A4042G / A3979C联合变异株为中国湖北地区宫颈病变中流行的变异株，此变异株与宫颈病变程度呈正相关。

关键词： 关键词:HPV16 E7和E5基因 基因多态性 宫颈病变

服务
把本文推荐给朋友
加入我的书架
加入引用管理器
E-mail Alert
RSS
作者相关文章
王华
蔡红兵
丁晓华

Abstract： ObjectiveTo identify variations in HPV 16 E7 and E5 genes and examine the association between these variants and cervical cancer development in Hubei,China. MethodsPolymerase chain reaction (PCR) and PCR-directed sequencing methods were applied.Samples from 115 women infected with HPV16 E5 and E7 were analyzed. ResultsIn addition to the prototype E7 and E5 genes sequence , the most frequently combined mutations A647G and T846C of HPV16 E7 were detected 25% in normal cervix, 30% in CIN Ⅰ~Ⅱ,53.3% in CINⅢ and 62.9% in ICC, respectively. The E5 combined mutations of A3979C and A4042 were 30% in normal cervix, 33.3% in CIN Ⅰ~Ⅱ、56.7%in CINⅢ and 71.4% in ICC, respectively. The combined mutations of HPV16 E7 and E5 were statistically different at different stages of cevercal lesion. ConclusionThe most prevalent variations were HPV 16E7 A647G- E7 T846C - E 5 A4042G - E5A3979C in Hubei, China.This combined variation was positively associated with cervical disease development.

Key words： Key words：HPV16 E7 and E5 genes Polymorphism Cervix lesion

收稿日期: 2009-12-03;

引用本文:

王华,蔡红兵,丁晓华 . 湖北地区HPV16 E7和E5基因突变与宫颈 病变的相关性[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(3): 337-340.

WANG Hua,CAI Hong-bing,DING Xiao-hua . Association of Mutations in Human Papillomavirus Type 16 E7 and E5 Genes with Cervical Lesion in Hubei [CHINA RESEARCH ON PREVENTION AND TREATMENT, 2011, 38(3): 337-340.

没有本文参考文献

[1] 来永静;戴淑真;初慧君;田甜;李明霞 . 高危型人乳头瘤病毒负荷量检测合并年龄因素在宫颈病变筛查中的作用[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(5): 542-544.

[2] 吕鹏;胡志坚. 乙醇脱氢酶2基因多态性与食管癌发病风险的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(5): 579-583.

[3] 杜趁香;王焱. HPV分型检测分析及其在宫颈病变中的意义[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(4): 458-459.

[4] 张豪;席亚明;徐建旺;李明;李培;邓伟 . XRCC1基因多态性与淋巴瘤发病风险的Meta分析 [J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(10): 1181-1186.

[5] 周莉;胡艳;高红芳;张红卫;周维;侯安继. 结肠癌患者外周血血管紧张素转换酶基因多态性[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(9): 1040-1043.

[6] 刘 静;孙业桓;陈 颖;陈 朋;黑金璇;耿 佼;孙 良. 亚甲基四氢叶酸还原酶基因多态性与中国人群食管癌易感性的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(2): 213-2

[7] 王亚东;杨海燕. 髓过氧化物酶基因463位点多态性与肺癌易感性的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(1): 101-103.

[8] 张倩影;李魁秀;李 琰;房朝晖;牛书怀;樊晓妹;宋藏珠;刘 红. E-钙黏蛋白基因多态性与子宫颈癌发病风险的关系[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(08): 926-930.

[9] 尹 东;张国庆;邓彦超;马彦清;居来提;陈 艳. CYP1A1、GSTM1基因多态性及其联合作用与食管癌的易感性[J]. 肿瘤防治研究, 2010, 37(06): 712-716.

[10] 牛朝旭;;周荣秒;王 娜;段亚男;孙东兰;李 琰. E2钙黏蛋白基因3′2UTR+54C/T多态与 肺癌的发病风险[J]. 肿瘤防治研究, 2008, 35(12): 900-903.

[11] 张晓娟;王娜;周荣秒;董秀娟;李琰;. MMP-12基因多态性与食管癌、贲门癌发病风险的关联 [J]. 肿瘤防治研究, 2008, 35(10): 740-743.