

FHIT基因启动子甲基化与肺癌相关性的 meta分析

Yichang SUN

摘要

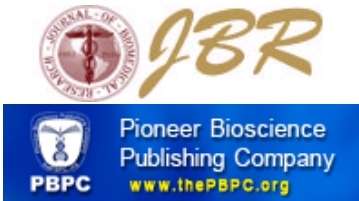
背景与目的 抑癌基因启动子序列DNA甲基化与该基因在肿瘤细胞中表达下调有关。FHIT (fragile histidine triad) 基因被认为是重要的肿瘤抑制基因, 文献报道其启动子序列DNA在肿瘤组织中常发生甲基化改变。本研究采用meta分析的方法探讨FHIT基因启动子序列DNA甲基化与肺癌的相关性。方法 检索Pubmed、CNKI及万方数据库, 收集公开发表的关于FHIT基因启动子序列DNA甲基化与肺癌相关性的论文。对比分析肺癌组织与其配对的癌旁/正常肺组织、支气管盥洗液或血浆中FHIT基因启动子序列DNA甲基化发生率有无差别。以优势比 (odd ratio, OR) 为效应量, 采用STATA 11.0统计软件进行合并分析。结果 最终纳入符合要求的文献11篇, 肺癌组织、癌旁/正常肺组织、支气管盥洗液和血浆中FHIT基因启动子序列甲基化率分别为 Pmedian=40.0% (0-68.3%)、Pmedian=8.7% (0-35.0%)、Pmedian=33.3% (17.1%-38.3%) 和 Pmedian=35.9% (31.1%-50.8%)。肺癌中FHIT基因启动子序列甲基化率明显高于正常肺组织 (OR=5.82, 95%CI: 3.74-9.06, P<0.05), 而与支气管盥洗液和血浆比较差别无统计学意义, (OR=1.55, 95%CI: 0.89-2.70, P>0.05; OR=1.41, 95%CI: 0.90-2.20, P>0.05)。结论 与癌旁/正常肺组织相比患者肺癌组织中FHIT基因启动子序列DNA甲基化率明显增高, 该基因的启动子甲基化与肺癌的发生可能存在相关性。

DOI: 10.3779/j.issn.1009-3419.2014.03.09

关键词

肺肿瘤; MGMT基因; 甲基化; Meta分析

全文: PDF HTML



ARTICLE TOOLS

- 索引源数据
- 如何引证项目
- 查找参考文献
- 审查政策
- Email this article (Login required)

RELATED ITEMS

- Related studies Databases Web search
- Show all

ABOUT THE AUTHOR

Yichang SUN
473058 南阳, 南阳医学高等专科学校第一附属医院肿瘤科 (通讯作者: 孙义长, Email: 695912066@qq.com)

