师资队伍

仪器科学与技术

电气工程

控制科学与工程

兵器科学与技术

生物医学工程

083100生物医学工程

您的当前位置：首页 师资队伍 生物医学工程 083100生物医学工程 硕导

姜伟

文/ 访问量：64 发布时间：2018-09-06

	姓名：	姜伟	性别：	男	职务：	
	职称：	教授	导师类别：	硕士生导师	办公室：	自动化学院2号楼404-1室
	研究领域：	1. 非编码RNA靶向药物预测； 2. 肿瘤耐药性分子机制研究； 3. 肿瘤系统生物学研究。				
	电话：			Email：	bioccjw@126.com	

个人简介

姜伟，博士，教授。主要从事生物信息学和计算系统生物学研究。发表学术论文78篇，其中SCI收录66篇，H因子21。主持国家自然科学基金等各类项目12项，参与973、863项目各1项。获软件著作权5项。主编、参编中英文教材、专著6部。目前担任：中国生物工程学会青年工作委员会副主任委员、中国生物工程学会计算生物学与生物信息学专业委员会委员、中国人工智能学会生物信息学与人工生命专业委员会委员、中国计算机学会生物信息学专业组委员、江苏省生物医学工程学会生物信息学专业委员会委员。

学术成果

1. Dai, Enyu(#); Yang, Feng(#); Wang, Jing; Zhou, Xu; Song, Qian; An, Weiwei; Wang, Lihong(*); Jiang, Wei(*), ncDR: a comprehensive resource of non-coding RNAs involved in drug resistance, Bioinformatics, 2017.12.15, 33(24): 4010~4011.

2. Dai, Enyu(#); Wang, Jing; Yang, Feng; Zhou, Xu; Song, Qian; Wang, Shuyuan; Yu, Xuexin; Liu, Dianming; Yang, Qian; Dai, Hong; Jiang, Wei(*); Ling, Hong(*), Accurate prediction and elucidation of drug resistance based on the robust and reproducible chemoresponse communities, Int J Cancer, 2017.11.16, 142(7): 1427~1439.

3. Yang, Qian(#); Wang, Shuyuan(#); Dai, Enyu; Zhou, Shunheng; Liu, Dianming; Liu, Haizhou; Meng, Qianqian; Jiang, Bin(*); Jiang, Wei(*), Pathway enrichment analysis approach based on topological structure and updated annotation of pathway, Briefings in Bioinformatics, 2017.8.16, 2017.

4. Jiang, Wei(#); Mitra, Ramkrishna(#); Lin, Chen-Ching; Wang, Quan; Cheng, Feixiong; Zhao, Zhongming(*), Systematic dissection of dysregulated transcription factor-miRNA feed-forward loops across tumor types., Briefings in Bioinformatics, 2016.11, 17(6): 996~1008.

5. Zhang, Yan(#); Liu, Dianming; Wang, Lihong; Wang, Shuyuan; Yu, Xuexin; Dai, Enyu; Liu, Xinyi; Luo, Shanshun(*); Jiang, Wei(*), Integrated systems approach identifies risk regulatory pathways and key regulators in coronary artery disease, J Mol Med (Berl), 2015.12, 93(12): 1381~1390.

6. Lv, Yingli(#); Wang, Shuyuan; Meng, Fanlin; Yang, Lei; Wang, Zhifeng; Wang, Jing; Chen, Xiaowen; Jiang, Wei(*); Li, Yixue(*); Li, Xia(*), Identifying novel associations between small molecules and miRNAs based on integrated molecular networks, Bioinformatics, 2015.11.15, 31(22): 3638~3644.

7. Dai, Enyu(#); Lv, Yingli(#); Meng, Fanlin; Yu, Xuexin; Zhang, Yan; Wang, Shuyuan; Liu, Xinyi; Liu, Dianming; Wang, Jing; Li, Xia(*); Jiang, Wei(*), CREAM: a database for chemotherapy resistance-associated miRSNP, Cell Death & Disease, 2014.5, 5.

8. Jiang, Wei(#); Zhang, Yan(#); Meng, Fanlin; Lian, Baofeng; Chen, Xiaowen; Yu, Xuexin; Dai, Enyu; Wang, Shuyuan; Liu, Xinyi; Li, Xiang; Wang, Lihong(*); Li, Xia(*), Identification of active transcription factor and miRNA regulatory pathways in Alzheimer's disease, Bioinformatics, 2013.10.15, 29(20): 2596~2602.

9. Liu, Xinyi(#); Wang, Shuyuan(#); Meng, Fanlin; Wang, Jizhe; Zhang, Yan; Dai, Enyu; Yu, Xuexin; Li, Xia(*); Jiang, Wei(*), SM2miR: a database of the experimentally validated small molecules' effects on microRNA expression, Bioinformatics, 2013.2.1, 29(3): 409~411.

10. Li, Xia(#)(*); Jiang, Wei(#); Li, Wei(#); Lian, Baofeng(#); Wang, Shuyuan; Liao, Mingzhi; Chen, Xiaowen; Wang, Yanqiu; Lv, Yingli; Wang, Shiyuan; Yang, Lei, Dissection of human MiRNA regulatory influence to subpathway, Briefings in Bioin

formatics, 2012.3, 13(2): 175~186.

承担项目

1. 国家自然科学基金（No. 61571169）；

2. 国家自然科学基金（No. 30900837）。

版权所有@2016-南京航空航天大学·自动化学院 | 地址：江苏省南京市江宁区将军大道29号 | 邮政编码：211106 电话：(025)84892368