肿瘤防治研究
ZHONGLIU FANGZHI YANJIU
Cancer Research on Prevention and Treatment
中华人民共和国卫生部主管
中国抗癌协会系列杂志

肿瘤防治研究 » 2013, Vol. 40 » Issue (03): 268-272 DOI: 10.3971/j.issn.1000-8578.2013.03.012

抑癌基因runx3与原发性肝癌关系的Meta分析

张雪妍[1]，郭文杰[2]，周永康[3]

1.610106成都，成都大学医护学院病理教研室，2.解剖教研室；3.成都市第五人民医院儿科

Meta-analysis on Relationship between runx3 Gene and Hepatocellular Carcinoma

Zhang Xueyan[1],Guo Wenjie[2],Zhou Yongkang[3]

1.Department of Pathology,Medical and Nursing School,Chengdu University,Chengdu 610106,China，2.Department of Anatomy；3. Department of Pediatrics，The Fifth People's Hospital of Chengdu

- 摘要
- 参考文献
- 相关文章

全文: PDF (1941 KB) HTML (KB) 输出: BibTeX | EndNote (RIS) 背景资料

摘要

目的

探索抑癌基因runx3异常甲基化及表达与原发性肝癌易感性的关系。方法采用Meta分析对国内外2004—2011年关于抑癌基因runx3与原发性肝癌易感性的研究文献进行综合计数分析。结果共收集相关文献14篇，累计原发性肝癌病例841例，对照病例800例。runx3 基因在肝癌患者癌组织与癌旁组织中的表达有差异，OR值为0.10（95%*CI*：0.04~0.23)，癌组织中runx3基因甲基化程度与癌旁组织有差异，OR值为21.62（95%*CI*：8.06~57.98)。结论runx3 基因在肝癌组织表达阳性率明显低于癌旁组织，而runx3基因甲基化明显高于癌旁组织，抑癌基因runx3甲基化可导致肝癌细胞表达异常，肝癌的发生发展与runx3基因表达异常及甲基化相关。runx3 表达缺失及异常甲基化检测可作为肝癌患者的一种早期辅助诊断指标，而且可能成为分子治疗的靶点。

关键词： runx3基因 DNA甲基化 原发性肝癌 Meta分析

Abstract：

Objective

To study the relationship between aberrant methylation and expression of runx3 gene and susceptibility of primary hepatocellular carcinoma. Methods

Research literature of cancer suppressor gene runx3 and primary hepatocellular carcinoma susceptibility home and abroad.

ResultsA total of 841 cases and 800 controls from 14 studies were included. Expression of runx3 gene was different in hepatocellular carcinoma and its para cancer tissue,OR=0.10（95%*CI*：0.04-0.23)，so was methylation of runx3 OR=21.62（95%*CI*：8.06-57.98).ConclusionThe positive expression ratio of runx3 gene in the HCC tissue was significantly lower than those in para-cancer tissue.And methylation of runx3 gene was significantly higher than those in para-cancer tissue.

Methylation of cancer suppressor gene runx3 will lead to abnormal expression of hepatoma carcinoma cells.Occurrence and development of hepatoma carcinoma has correlation to abnormal expression and methy lation of runx3.Detection of expression missing and abnormal methylation of runx3 could be the early auxiliary diagnosis means for hepatoma carcinoma patients,which could also become the molecular therapy target.

Key words： runx3 gene DNA methylation Primary hepatocellular carcinoma Meta-analysis

收稿日期: 2012-06-18;

基金资助:

成都大学校级自然科学基金资助项目(2010 XJZ33)

服务
- 把本文推荐给朋友
- 加入我的书架
- 加入引用管理器
- E-mail Alert
- RSS

作者相关文章
- 张雪妍
- 郭文杰
- 周永康

作者简介：张雪妍(1975-)，女，硕士，讲师，主要从事消化系统肿瘤治疗基础和临床研究

引用本文:

张雪妍,郭文杰,周永康. 抑癌基因runx3与原发性肝癌关系的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2013, 40(03): 268-272.

Zhang Xueyan,Guo Wenjie,Zhou Yongkang. Meta-analysis on Relationship between runx3 Gene and Hepatocellular Carcinoma[J]. Cancer Research on Prevention and Treatment, 2013, 40(03): 268-272.

没有本文参考文献

[1] 陈贝贝，马一杰，陈小兵，罗素霞，吕慧芳，李宁. 抑癌基因TIP30启动子甲基化对大肠癌诊断及预后的影响[J]. 肿瘤防治研究, 2013, 40(4): 349-352.

[2] 李柱，陈晓秋，李亮，童刚领，彭安. 静脉注射岩舒合并介入治疗原发性肝癌的82例随机对照研究[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(7): 844-846.

[3] 陈军莹，姚德生,伍志娟. SCC-Ag在宫颈鳞癌病例中诊断淋巴结转移效能的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(7): 811-817.

[4] 尹雪，刘杰，田金徽. 紫杉醇联合顺铂同步放化疗治疗中晚期食管癌的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(7): 851-854.

[5] 吴时胜，邵立华，李尚日,张飞，谢鸿，张春秀，刘桂平. MMP-9和MMP-2基因多态性与原发性肝癌侵袭转移的关系[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(6): 683-686.

[6] 钟鉴宏，龚文锋，黎乐群，马良，张宇，游雪梅. 内皮生长因子61基因多态性与肝细胞性肝癌易感性的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(4): 460-463.

[7] 姚志文;赵振龙;姜玉梅;米颖;古妙宁. COX-2 -1195G>A多态与结直肠癌易感性关系的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(2): 213-217.

[8] 马骏;聂胜男;史本玲;左文述. 豆制品与乳腺癌相关性的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(2): 218-221.

[9] 闫洪超,孙洁芸,陆晓媛,韩秋峪,魏敏. 上皮性卵巢癌组织中WWOX基因启动子区域CpG岛的甲基化状态及临床意义[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(12): 1469-1473.

[10] 彭亮,赵铁,吴晓蔓. 浸润性膀胱癌不同治疗方案预后的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(11): 1357-1360.

[11] 吕慧芳;刘红亮;陈小兵;陈贝贝;李宁;邓文英;马磊;罗素霞. TIP30基因对大肠癌细胞HCT116生物学特性的影响[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(1): 13-17.

[12] 郑刚，王舒艺，熊斌. 循环癌细胞和胃癌预后关系的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(09): 1139-1145.

[13] 王欢,左斌,李明远. 乙肝病毒诱导肝癌发生的基因组稳定性机制[J]. 肿瘤防治研究, 2012, 39(08): 1029-1032.

[14] 吴正国;龚家权. 机械吻合和手工吻合在国人食管癌术后吻合口瘘发生率的Meta分析[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(7): 823-826.

[15] 尹明红;陆荫英;苏淑慧;高旭东;王春平;杨永平. 氩氦刀冷冻消融治疗原发性肝癌术后常见并发症及防治[J]. 肿瘤防治研究, 2011, 38(6): 687-689.