

大细胞肺癌中VEGF的表达与DCs Treg 分布的相关性研究

张 静①②,于津浦①,于文文①,张家丽①,李 慧①,曹 水①,于学燕②,任秀宝①

①天津医科大学附属肿瘤医院生物治疗科, 天津市肿瘤防治重点实验室(天津市300060); ②山东省胸科医院肿瘤内科

Relationship between VEGF Expression and Dendritic Cells and Regulatory T Cell Distribution in Large Cell Lung Cancer

Jing ZHANG^{1,2}, Jinpu YU¹, Wenwen YU¹, Jiali ZHANG¹, Hui LI¹, Shui CAO¹, Xue-yan YU², Xiubao REN¹

¹Department of Cancer Biotherapy, Tianjin Medical University Cancer Institute and Hospital and Key Laboratory of Cancer Prevention and Therapy of Tianjin, Tianjin 300060, China

²Department of Medical Oncology, Shandong Chest Hospital, Jinan 250013, China

摘要

参考文献

相关文章

全文: [PDF](#) (2013 KB) [HTML](#) (1 KB) 输出: [BibTeX](#) | [EndNote \(RIS\)](#) [背景资料](#)

摘要 目的: 探讨血管内皮生长因子 (vascular endothelial growth factor, VEGF) 在大细胞肺癌 (large cell lung cancer, LCCL) 肿瘤组织中的表达及树突状细胞 (dendritic cells, DCs)、调节性T细胞 (regulatory T cells, Treg) 在肿瘤组织和癌旁正常组织中的分布情况, 探讨VEGF的表达情况、DCs 与Treg 的分布情况之间的相关性, 及DCs、Treg 分布与患者临床特征间的关系。方法: 收集天津医科大学附属肿瘤医院自2000年5月至2010年10月手术切除的原发性LCCL标本75例, 其中27例癌旁正常组织作为对照。采用免疫组织化学法检测LCCL标本中VEGF的表达、未成熟DC细胞 (CD1a+DC)、成熟DC细胞 (CD83+DC) 及Treg 细胞 (Foxp3+T 细胞) 的分布, 并分析它们之间的相关性及与患者临床特征的关系。结果: 75例癌组织中VEGF的阳性率为94.7% (71/75); CD1a+DC、CD83+DC在癌组织中的分布均显著低于癌旁正常组织 ($P=0.005$ 、 $P<0.001$) ; Foxp3+T 在癌组织中的分布显著高于癌旁正常组织 ($P<0.001$) 。 CD83+DC的分布在VEGF阳性组明显低于VEGF阴性组 ($\chi^2=7.802$, $P=0.020$) ; CD1a+DC与Foxp3+T 的分布呈正相关 ($r_s=0.246$, $P=0.033$) 。 CD83+DC的分布在不同T 分期间存在差异, 随着T 分期增高其数量降低 ($\chi^2=11.043$, $P=0.011$) 。 结论: LCCL组织中VEGF高表达与成熟DC数量的减少相关, 而未成熟DC的分布与Treg 细胞的分布呈正相关。

关键词: 大细胞肺癌 VEGF 树突状细胞 调节性T细胞

Abstract. Objective: This study aims to investigate the distribution of dendritic cells (DCs) and regulatory T cells (Treg) in human large cell lung cancer (LCCL) patients with different clinical characteristics and to compare the correlation between the expression of vascular endothelial growth factor (VEGF) and the distribution of the two subsets. Methods: Seventy-five cases of LCCL paraffin-embedded tissues treated in Tianjin Cancer Hospital from May 2000 to November 2010 and 27 cases of normal adjacent tissues were collected. The VEGF expression and the distribution of DCs and Treg were detected using immunohistochemistry. The correlation between the VEGF expression and the distribution of the cells and their clinical features were then analyzed. Results: Positive VEGF expression in LCCL tissues was characterized by brown granules in the cytoplasm of the tumor cells and was detected in 71 (94.7%) patients. Both counts of the CD1a+ and CD83+ DCs per high-power field in the LCCL tissues were lower compared with those in the adjacent normal tissues ($P=0.005$ and $P<0.001$, respectively). The count of Foxp3+ Treg cells in the tumor tissues was higher than that in the adjacent normal tissue ($P<0.001$). The distribution of CD83+ DCs in the VEGF-positive group was significantly lower than that in the VEGF-negative group ($\chi^2=7.802$, $P=0.020$). A positive correlation was observed between the CD1a+ DCs and Foxp3+ Treg distribution in LCCL ($r_s=0.373$, $P=0.001$). The high distribution of CD83+ DCs was related to the small tumor size ($\chi^2=11.043$, $P=0.011$). Conclusion: VEGF expression affects the mature degree of DCs. Moreover, a positive correlation was observed between the distribution of immature DCs and Treg.

Key words: Large cell lung cancer (LCCL) VEGF Dendritic cells (DCs) Regulatory T cells (Treg)

服务

[把本文推荐给朋友](#)

[加入我的书架](#)

[加入引用管理器](#)

[E-mail Alert](#)

[RSS](#)

作者相关文章

引用本文：

· 大细胞肺癌中VEGF的表达与DCs Treg 分布的相关性研究[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(20): 1501-1504.

. Relationship between VEGF Expression and Dendritic Cells and Regulatory T Cell Distribution in Large Cell Lung Cancer[J]. Chinese Journal of Clinical Oncology, 2012, 39(20): 1501-1504.

链接本文：

http://118.145.16.228:8081/Jweb_zgzllc/CN/doi:10.3969/j.issn.1000-8179.2012.20.012 或 http://118.145.16.228:8081/Jweb_zgzllc/CN/Y2012/V39/I20/1501

没有本文参考文献

- [1] 王 帅,杨明花,隋承光. 人PSMA基因重组腺病毒的构建及其在树突状细胞上的表达[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(9): 510-513.
- [2] 曹 杉,任宝柱,张新伟,韩 颖,张维红,惠珍珍,戚 颖,杨雪娜,任秀宝. 74例肺癌患者GVAX治疗前后外周血树突状细胞变化及其临床意义[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(9): 514-518.
- [3] 庄 倩,郝良纯, 张继红. 左旋门冬酰胺酶杀伤MOLT-4细胞的机制研究[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(8): 421-424.
- [4] 杨艳芳, 刘 君, 姜战胜, 顾 林. VEGF在三阴性乳腺癌中的表达及临床意义[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(8): 439-.
- [5] 肖秀丽,王晓瑜,蒲霞,郭庆喜,龙汉安. 黄芩素对人肝癌细胞株SMMC-7721 体外迁移及侵袭的影响[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(6): 305-309.
- [6] 李 琳, 晓欧, 文富强. 肺黏膜相关淋巴组织淋巴瘤临床特征及预后分析[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(3): 149-152.
- [7] 侯 靖,刘胜春,李鹏鹏,张 力,赵雪云,张作文,黄 曼. TACC3 mRNA及蛋白在乳腺癌中的表达及其临床意义[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(20): 1535-1538.
- [8] 郑正津,宋清晓,王少元,黄慧芳. 退化细胞ZAP-70在慢性淋巴细胞白血病的表达及预后影响[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(20): 1527-1529.
- [9] 王 欣,刘 伟①,韩芸蔚①,冯玉梅②,李代清③. 半胱氨酸白三烯受体在乳腺癌组织中的表达及意义*[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(20): 1522-1526.
- [10] 欧江华①,吴 涛①,倪 多①,许文婷①,陈 玲①,哈木拉提·吾甫尔②. 68例中国新疆多民族地区遗传性乳腺癌患者BRCA1 和BRCA2 突变研究*[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(20): 1539-1541.
- [11] 牛 眇①②,王淑玲②,刘铁菊③,吕淑华②,蒋伶活①. 高低分级乳腺癌及导管上皮不典型增生 γ -tubulinNek2 mRNA表达分析及其意义*[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(20): 1530-1534.
- [12] 黄宇婷①,胡林萍②,田 菁①,鞠宝辉①,葛 菁②,李惠智②,袁卫平②,程 涛②,郝 权①. 上皮性卵巢癌中c-myc 基因扩增和Rb1 基因缺失及临床意义*[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(20): 1547-1551.
- [13] 邓秋华①,林勇平②,杨海虹③,邱 源③,刘 君③,张 鑫③,熊信国③,莫明聪④,何 萍④,莫莉莉①,何建行③. β -tubulin表达与非小细胞肺癌患者术后诺维本联合铂类辅助化疗预后的关系[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(19): 1410-1414.
- [14] 杜 丰, 依荷芭丽·迟, 王金万. 贝伐单抗疗效预测因素的研究进展[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(19): 1446-1448.
- [15] 史培荣①,王旦霞①,王银珠①,陈维毅①,陈显久②. 口腔鳞状细胞癌中SOCS3 及其DNA 甲基化的表达及生物学意义*[J]. 中国肿瘤临床, 2012, 39(18): 1354-1357.

友情链接



版权所有 © 2013 《中国肿瘤临床》编辑部

地址：天津市河西区体院北环湖西路肿瘤医院内 300060

电话/传真：(022)23527053 E-mail: cjco@cjco.cn cjcotj@sina.com 津ICP备1200315号