



118年12月14日 星期五

[首页](#) | [期刊介绍](#) | [编委会](#) | [投稿指南](#) | [期刊订阅](#) | [下载中心](#) | [留言板](#) | [联系我们](#) | [English](#)

中国感染控制杂志 » 2010, Vol. 9 » Issue (1): 6-9 DOI:

论著

[最新目录](#) | [下期目录](#) | [过刊浏览](#) | [高级检索](#)
◀◀ 前一篇
后一篇 ▶▶

ICU多重耐药鲍曼不动杆菌医院感染的同源性分析 FREE

毛璞, 单靖岚, 叶丹, 郑蕾, 李莲娜, 黎毅敏

广州医学院第一附属医院

Homology analysis on ICU multidrug-resistant Acinetobacter baumannii nosocomial infection FREE

MAO Pu, SHAN Jing-Lan, YE Dan, ZHENG Lei, LI Lian-Na, LI Yi-min

The First Affiliated Hospital of Guangzhou Medical College, Guangzhou 510120, China

[摘要](#)[图/表](#)[参考文献](#)[相关文章 \(15\)](#)**全文:** [PDF](#) (905 KB) [HTML](#) (1 KB)**输出:** [BibTeX](#) | [EndNote](#) (RIS)**摘要**

目的对某院重症监护室 (ICU) 流行的多重耐药鲍曼不动杆菌感染进行同源性分析。方法收集该ICU鲍曼不动杆菌感染流行期间住院患者标本中分离的9株以及环境中分离的24株鲍曼不动杆菌, 采用基因外重复回文序列聚合酶链反应 (REP-PCR) 技术对其进行基因分析, 建立DNA指纹图谱; 同时应用K-B纸片扩散法进行药敏试验。结果9株临床分离的鲍曼不动杆菌共分为4个基因型, 其中E1和E2型分别有4株和3株, E3和E4型各1株; 环境样本分离的24株中, 17株属E1型。药敏结果显示, 临床分离株均为多重耐药株, 环境分离株中19株为多重耐药株。结论此次ICU多重耐药鲍曼不动杆菌感染的流行主要是由E1和E2基因型在患者之间的相互传播所致, 同时患者所处环境也被明显污染。

关键词 : 鲍曼不动杆菌; 重症监护室; 医院感染; 流行病学; 多重耐药; 抗药性, 微生物; 同源性**服务**

- ↳ 把本文推荐给朋友
- ↳ 加入我的书架
- ↳ 加入引用管理器
- ↳ E-mail Alert
- ↳ RSS

作者相关文章

- ↳ 毛璞
- ↳ 单靖岚
- ↳ 叶丹
- ↳ 郑蕾
- ↳ 李莲娜
- ↳ 黎毅敏

Abstract :

Objective To investigate an outbreak of nosocomial infection(NI) with multidrug-resistant(MDR) *Acinetobacter baumannii* (A.baumannii) in an intensive care unit (ICU). Methods Nine strains isolated from patients and 24 strains isolated from ICU environment during NI outbreak with MDR A.baumannii were typed by repetitive extragenic palindromic-polymerase chain reaction (rep-PCR) and antimicrobial susceptibility was tested by Kirby-Bauer method. Results Nine strains isolated from patients were divided into 4 genotypes by rep-PCR, type E1 and E2 had 4 and 3 strains respectively, both type E3 and E4 had 1 strain. 24 strains of A.baumannii were isolated from the environmental samples, 17 of which belonged to type E1. Antimicrobial sensitivity test results showed that all clinical isolates and 19 environmental isolates were multidrug-resistant strains. Conclusion The MDR A.baumannii outbreak in ICU was caused by transmission of E1 and E2 genotype A.baumannii among patients, and environment was also contaminated.

Key words : *Acinetobacter baumannii* intensive care units nosocomial infection epidemiology multidrug resistance drug-resistance, microbial homology**收稿日期:** 2009-09-01 **出版日期:** 2010-01-30**PACS:** R378.99**通讯作者:** 黎毅敏 **E-mail:** lymin98@gmail.com**作者简介:** 毛璞 (1981-), 女(汉族), 湖北省枝江市人, 讲师, 主要从事医院感染管理研究。**引用本文:**

毛璞, 单靖岚, 叶丹, 郑蕾, 李莲娜, 黎毅敏. ICU多重耐药鲍曼不动杆菌医院感染的同源性分析 FREE[J]. 中国感染控制杂志, 2010, 9(1): 6-9. MAO Pu, SHAN Jing-Lan, YE Dan, ZHENG Lei, LI Lian-Na, LI Yi-Min. Homology analysis on ICU multidrug-resistant *Acinetobacter baumannii* nosocomial infection FREE. Chinese Journal of Infection Control, 2010, 9(1): 6-9.

链接本文:

<http://www.zggrkz.com/CN/> 或 <http://www.zggrkz.com/CN/Y2010/V9/I1/6>

51La

版权所有 © 2009 《中国感染控制杂志》编辑部

地址: 湖南省长沙市湘雅路87号(410008) 电话: 0731-84327658 84327237 E-mail: zggrkz2002@vip.sina.com

本系统由北京玛格泰克科技发展有限公司设计开发 技术支持: support@magtech.com.cn

湘ICP备17021739号-2