



诚信 博学 笃行 创业

院长信箱
书记信箱

学院概况 机构设置 师资队伍 教育教学 科学研究 学科建设 学生工作 国际交流 党群工作 社会服务 公卫校友

南京医科大学公共卫生与预防医学学科简介

重点学科

优势学科相关信息

发布者：流行病学系 发布时间：2023-09-01



靳光付，南京医科大学教授，博士生导师，现任公共卫生学院副院长、江苏省肿瘤个体化医学协同创新中心副主任、江苏省恶性肿瘤生物标志物与防治重点实验室副主任。入选教育部“长江学者奖励计划”青年学者、中组部“万人计划”青年拔尖人才、基金委“优秀青年科学基金”获得者、江苏省“333”高层次人才培养工程培养对象（第二层次）。主要从事肿瘤分子与遗传流行病学研究，研究成果在 *Lancet Oncol*、*Nat Genet*、*Gastroenterology*、*Gut*、*Am J Hum Genet* 等国际期刊发表论文 100 余篇，累计 SCI 他引 5000 余次。获国家发明专利授权 10 余项。以主要完成人获国家自然科学二等奖、教育部自然科学一等奖、江苏省科学技术一等奖等科技奖励。现为中国抗癌协会青年理事会常务理事、中国抗癌协会肿瘤病因学专业委员会常务委员、江苏省医学会临床流行病学专业委员会候任主任委员。

研究方向：肿瘤分子与遗传流行病学

联系方式：

地址：南京市江宁区龙眠大道 101 号南京医科大学至诚楼

电话：025-86868397

邮箱：guangfujin@njmu.edu.cn

主要在研项目：

1. 国家自然科学基金面上项目（No. 81872702），胚系遗传变异与体细胞突变在胃癌发生中的关联及机制研究，2019.01-2022.12，主持
2. 国家重点研发计划项目（No.2016YFC1302703），基于大数据的肿瘤风险预测模型在前瞻性队列人群中的验证研究，2016.09-2020.12，主持

代表性论文：

1. **Jin G.** Lv J, Yang M, Wang M, Zhu M, Wang T, Yan C, Yu C, Ding Y, Li G, Ren C, Ni J, Zhang R, Guo Y, Bian Z, Zheng Y, Zhang N, Jiang Y, Chen J, Wang Y, Xu D, Zheng H, Yang L, Chen Y, Walters R, Millwood IY, Dai J, Ma H, Chen K, Chen Z, Hu Z, Wei Q, Shen H, Li L. Genetic risk, incident gastric cancer, and healthy lifestyle: a meta-analysis of genome-wide association studies and prospective cohort study. *Lancet Oncol*. 2020 Oct; 21(10):1378-1386.

2. Yan C, Zhu M, Ding Y, Yang M, Wang M, Li G, Ren C, Huang T, Yang W, He B, Wang M, Yu F, Wang J, Zhang R, Wang T, Ni J, Chen J, Jiang Y, Dai J, Zhang E, Ma H, Wang Y, Xu D, Wang S, Chen Y, Xu Z, Zhou J, Ji G, Wang Z, Zhang Z, Hu Z, Wei Q, Shen H, **Jin G**. Meta-analysis of genome-wide association studies and functional assays decipher susceptibility genes for gastric cancer in Chinese populations. **Gut**. 2020 Apr;69(4):641-651.
3. Wang T, Ren C, Ni J, Ding H, Qi Q, Yan C, Deng B, Dai J, Li G, Ding Y, **Jin G**. Genetic Association of Plasma Homocysteine Levels with Gastric Cancer Risk: A Two-Sample Mendelian Randomization Study. **Cancer Epidemiol Biomarkers Prev**. 2020 Feb;29(2):487-492.
4. Ni J, Wang J, Fu Y, Yan C, Zhu M, Jiang Y, Chen J, Ding Y, Fan X, Li G, **Jin G**. Functional Genetic Variants in Centrosome-Related Genes CEP72 and YWHAG Confer Susceptibility to Gastric Cancer. **Arch Toxicol**. 2020 Aug;94(8):2861-2872.
5. Yu F, Tian T, Deng B, Wang T, Qi Q, Zhu M, Yan C, Ding H, Wang J, Dai J, Ma H, Ding Y, **Jin G**. Multi-marker analysis of genomic annotation on gastric cancer GWAS data from Chinese populations. **Gastric Cancer**. 2019 Jan;22(1):60-68.
6. Yan C, Zhu M, Huang T, Yu F, **Jin G**. Genome-wide association studies identified loci contribute to phenotypic variance of gastric cancer. **Gut**. 2018 Jul;67(7):1366-1368.
7. Yan C, Ji Y, Huang T, Yu F, Gao Y, Gu Y, Qi Q, Du J, Dai J, Ma H, **Jin G**. An esophageal adenocarcinoma susceptibility locus at 9q22 also confers risk to esophageal squamous cell carcinoma by regulating the function of BARX1. **Cancer Lett**. 2018 May 1;421:103-111.
8. Zhu M, Yan C, Ren C, Huang X, Zhu X, Gu H, Wang M, Wang S, Gao Y, Ji Y, Miao X, Yang M, Chen J, Du J, Huang T, Jiang Y, Dai J, Ma H, Zhou J, Wang Z, Hu Z, Ji G, Zhang Z, Shen H, Shi Y, **Jin G**. Exome Array Analysis Identifies Variants in SPOCD1 and BTN3A2 That Affect Risk for Gastric Cancer. **Gastroenterology**. 2017 Jun;152(8):2011-2021.
9. **Jin G**, Zhu M, Yin R, Shen W, Liu J, Sun J, Wang C, Dai J, Ma H, Wu C, Yin Z, Huang J, Higgs BW, Xu L, Yao Y, Christiani DC, Amos CI, Hu Z, Zhou B, Shi Y, Lin D, Shen H. Low-frequency coding variants at 6p21.33 and 20q11.21 are associated with lung cancer risk in Chinese populations. **Am J Hum Genet**. 2015 May 7;96(5):832-40.
10. **Jin G**, Ma H, Wu C, Dai J, Zhang R, Shi Y, Lu J, Miao X, Wang M, Zhou Y, Chen J, Li H, Pan S, Chu M, Lu F, Yu D, Jiang Y, Dong J, Hu L, Chen Y, Xu L, Shu Y, Pan S, Tan W, Zhou B, Lu D, Wu T, Zhang Z, Chen F, Wang X, Hu Z, Lin D, Shen H. Genetic variants at 6p21.1 and 7p15.3 are associated with risk of multiple cancers: evidence from three genome-wide association studies on different cancers in Han Chinese populations. **Am J Hum Genet**. 2012 Nov 2;91(5):928-34.