

● 电子杂志  
● 高影响力论文  
● 友情链接  
访问总次数

今日访问

当前在线

杨倩, 董菁, 成军. 乙型肝炎病毒基因组前-前-S基因区的分子流行病学研究.  
世界华人消化杂志 2004年 4月;12(4):785-789

乙型肝炎病毒基因组前-前-S基因区的分子流行病学研究

杨倩, 董菁, 成军.

100039, 北京市西四环中路100号, 中国人民解放军第302医院传染病研究所基因治疗研究中心、全军病毒性肝炎防治研究重点实验室. cj@genetherapy.com.cn

目的: 探讨乙型肝炎病毒(HBV)基因组是否存在前-前-S编码基因, 并探讨前-前-S基因与HBV基因型分布之间的关系. 方法: 自慢性乙型肝炎患者血清中提取病毒基因组DNA, 首先应用多引物-多聚酶链反应(PCR)进行HBV基因型分型, 之后将前-前-S区扩增, TA克隆到pGEM Teasy载体后进行单克隆测序, 利用Vector 8.0软件进行序列分析. 结果: 选择15例患者, 经过HBV基因型分型实验确定基因型为B型者1例, B/C混合型者5例, C型9例. 自15例患者血清中提取的HBV基因组中扩增出前-前-S基因片段, TA克隆后选择31个克隆进行测序, 测序结果证明这31个克隆均编码前-前-S基因. 结论: 前-前-S区编码在B、C基因型中均为普遍存在的现象.

世界胃肠病学杂志社, 北京百世登生物医学科技有限公司, 100023, 北京市2345信箱, 郎辛庄北路58号院怡寿园1066号

电话: 010-85381892

传真: 010-85381893

E-mail: wjg@wjgnet.com

http: //www.wjgnet.com

2004-2007年版权归世界胃肠病学杂志社和北京百世登生物医学科技有限公司