

英文

[首页](#) | [期刊介绍](#) | [投稿指南](#) | [排行榜](#) | [光荣榜](#) | [编委会](#) | [期刊订阅](#) | [留言板](#) | [联系我们](#) | [自荐编委/审稿人](#) | [广告合作](#)

白莉,张秀丽,甘辛,王伟,胡豫杰,侯君,李凤琴,徐进.肉鸡养殖场中环丙沙星和头孢噻肟双重耐药沙门菌耐药机制的研究[J].中国食品卫生杂志,2015,27(5):487-494.

肉鸡养殖场中环丙沙星和头孢噻肟双重耐药沙门菌耐药机制的研究

Molecular characteristics of ciprofloxacin and cefotaxime co-resistant *Salmonella* isolates in broiler flocks

投稿时间：2014-12-15

DOI：

中文关键词: 肉鸡 养殖场 沙门菌 环丙沙星 头孢噻肟 耐药机制 抗生素 食源性致病菌

Key Words: Broiler flock *Salmonella* ciprofloxacin cefotaxime mechanism of resistance antibiotic foodborne pathogenic bacteria

基金项目:

作者	单位	E-mail
白莉	国家食品安全风险评估中心 卫生部食品安全风险评估重点实验室,北京 100021	baili@cfsa.net.cn
张秀丽	河南省疾病预防控制中心,河南 郑州 450016	
甘辛	国家食品安全风险评估中心 卫生部食品安全风险评估重点实验室,北京 100021	
王伟	国家食品安全风险评估中心 卫生部食品安全风险评估重点实验室,北京 100021	
胡豫杰	国家食品安全风险评估中心 卫生部食品安全风险评估重点实验室,北京 100021	
侯君	大连市疾病预防控制中心,辽宁 大连 116021	
李凤琴	国家食品安全风险评估中心 卫生部食品安全风险评估重点实验室,北京 100021	
徐进	国家食品安全风险评估中心 卫生部食品安全风险评估重点实验室,北京 100021	

摘要点击次数: 458

全文下载次数: 816

中文摘要:

阐明养殖场肉鸡及其环境中环丙沙星和头孢噻肟耐药沙门菌的分布和耐药机制特点。方法 对河南省4个不同地区肉鸡养殖场及环境中分离的沙门菌进行环丙沙星和头孢噻肟双重耐药菌株的筛选和鉴定,并对分离株进行药敏试验、喹诺酮类和超广谱β内酰胺酶耐药机制研究。结果从52株养殖场肉鸡肛拭子及环境中筛选出5株耐环丙沙星和头孢噻肟的沙门菌,均为印第安纳沙门菌,有AMP-CAZ-CHL-CIP-CTX-GEN($n=1$)和AMP-CAZ-CHL-CIP-CTX-GEN-SXT-TET($n=4$)两种耐药谱。喹诺酮耐药机制研究显示,5株菌的拓扑异构酶编码基因gyrA和parC均有点突变出现,均携带了质粒介导的喹诺酮耐药基因,包括oqxAB、aac(6')-Ib-cr基因,而qnrA、qnrB、qnrS、qnrC、qnrD和qepA基因则未检出。超广谱β-内酰胺酶耐药机制显示,5株菌均为bla_{CTX-M-65}型。结论 耐环丙沙星和头孢噻肟的菌株存在于肉鸡养殖环节及其环境中,并具有复杂的喹诺酮耐药机制和可传播的超广谱β内酰胺酶耐药机制。为阐明农场-餐桌-感染者传递链条中耐药关联性,为社区感染防控、临床抗生素用药提供科学依据,我国应该加强肉鸡等养殖业沙门菌多重耐药菌株的监测。

Abstract:

To investigate the prevalence and characteristics of ciprofloxacin and cefotaxime co-resistant *Salmonella* isolates in broiler flocks. Methods Ciprofloxacin and cefotaxime co-resistant *Salmonella* isolates were selected from isolates recovered from cloaca or rectal swabs and environment samples collected from 4 different districts in Henan Province. Ciprofloxacin and cefotaxime co-resistant *Salmonella* isolates were subjected to antimicrobial susceptibility testing, phylogenetic analysis and further characterized by screening for β-lactamase genes and quinolone resistance determinants by PCR and followed by DNA sequence analysis. Results Totally, five ciprofloxacin and cefotaxime co-resistant *Salmonella* isolates were recovered from 52 isolates, which all belonged to *Salmonella* Indiana. There were two antimicrobial resistant profiles which were AMP-CAZ-CHL-CIP-CTX-GEN ($n=1$) and AMP-CAZ-CHL-CIP-CTX-GEN-SXT-TET ($n=4$). Point mutations in topoisomerase encoded genes gyrA and parC were identified, and all isolates carried plasmid-mediated quinolone resistance genes, including oqxAB and aac(6')-Ib-cr, but qnrA, qnrB, qnrS, qnrC, qnrD and qepA were not detected. All of the five cefotaxime-resistant *Salmonella* were due to the production of plasmid borne bla_{CTX-M-65}.Conclusion The extensive prevalence, complicated quinolone resistance mechanisms of isolates and the possible transmission of bla_{CTX-M-65} were existed in broiler flocks and environment. In order to clarify the farm-table-patient resistant relevance chain of infection transmission and to provide a scientific basis for antibiotic medication in clinical, the continuous surveillance of multidrug-resistant *Salmonella* in broiler flocks should be carried out.

[查看全文](#) [查看/发表评论](#) [下载PDF阅读器](#)

您是第27847387位访问者 今日一共访问90次

版权所有：《中国食品卫生杂志》编辑部 京ICP备12013786号-3



二维码 (扫一下试试看 !)

2018/11/20

《中国食品卫生杂志》

地址：北京市朝阳区广渠路37号院2号楼501室 邮编:100022
E-mail:spws462@163.com 电话/传真：010-52165456/5441（编辑室） 010-52165556（主编室）
未经授权禁止复制或建立镜像
技术支持 北京勤云科技有限公司

