



家蚕AFLP分子连锁图谱的构建及绿茧基因定位

摘要 利用改进的AFLP技术,对家蚕品系C100和大造的回交一代BC1群体进行连锁图谱的构建。经扩增,共获得了3 956条带,平均每对引物产生141.3条带,获得多态性带只有1018条,多态性带的比率为1个多态性位点符合1:1孟德尔分离比例。利用Mapmaker/Exp 3.0软件进行连锁分析,构建了一张含有40个连锁群、总图距为3 676.7 cM的连锁图谱,并将绿茧基因定位在该图谱的22连锁群上,表明该连锁群与家蚕绿茧基因对应。

[存档文本](#)