

 中文标题

不同种源高良姜遗传多样性的AFLP分析

投稿时间: 2010-09-19 责任编辑: 吕冬梅 [点此下载全文](#)

引用本文: 杨全张春荣陈虎彪滕希峰唐晓敏.不同种源高良姜遗传多样性的AFLP分析[J].中国中药杂志,2011,36(3):330.

DOI: 10.4268/cjcm20110322

摘要点击次数: 531

全文下载次数: 158

广告合作

作者中文名	作者英文名	单位中文名	单位英文名	E-Mail
杨全	YANG Quan	广东药学院 中药学院, 广东 广州 510006	School of Traditional Chinese Medicine, Guangdong Pharmaceutical University, Guangzhou 510006, China	yangquan7208@vip.163.com
张春荣	ZHANG Chunrong	广东药学院 中药学院, 广东 广州 510006	School of Traditional Chinese Medicine, Guangdong Pharmaceutical University, Guangzhou 510006, China	
陈虎彪	CHEN Hubiao	香港浸会大学 中医药学院, 香港	School of Chinese Medicine, Hong Kong Baptist University, Hong Kong, China	
滕希峰	TENG Xifeng	广东药学院 中药学院, 广东 广州 510006	School of Traditional Chinese Medicine, Guangdong Pharmaceutical University, Guangzhou 510006, China	
唐晓敏	TANG Xiaomin	广东药学院 中药学院, 广东 广州 510006	School of Traditional Chinese Medicine, Guangdong Pharmaceutical University, Guangzhou 510006, China	

基金项目: 国家科技基础条件平台工作项目(2005DKA21000); 国家科技基础性工作专项重点项目(2007FY110600); 广东省科技计划项目(2009B060700076); 广东药学院博士启动项目/广东药学院重点培养青年教师项目

中文摘要: 目的: 研究不同种源高良姜的遗传多样性, 探求各种质间的亲缘关系, 为合理利用高良姜种质资源及优良品种选育奠定理论基础。方法: 采用扩增片段长度多态性(AFLP)技术, 对8个种源地的的高良姜进行遗传多态性分析, 将扩增出的条带作为原始矩阵, 用NTSYSpc-2.11F软件计算并分析高良姜种质间的相似度, 构建遗传系统进化树。结果: 通过筛选得到8对AFLP引物组合, 共扩增出1 120个DNA条带, 多态性条带为1 044个, 多态性位点平均为92.57%; 通过构建系统进化树, 将8个种源地的的高良姜种质分为3类。结论: 高良姜种质间存在较高多态性, 遗传多样性丰富。

中文关键词: 高良姜 种质资源 AFLP 遗传多样性

AFLP analysis of genetic diversity of *Alpinia officinarum*

Abstract: Objective: To explore the genetic diversity and relationship of different *Alpinia officinarum* germplasm. Method: Amplified fragment length polymorphism (AFLP) markers were developed to analyze genetic polymorphism in *A. officinarum* from eight resources. The amplified fragments were used as primary matrix with NTSYSpc-2.11F software to analyze the similarity between the *A. officinarum* germplasm and to construct the genetic phylogenetic tree. Result: A total of 1 120 fragments were genotyped using AFLP with eight prime combinations. Analysis identified 1 044 polymorphic fragments, accounting for 92.57% of the total detected variation. Genetic phylogenetic tree analysis indicates that three categories can be divided among the eight resources of *A. officinarum*. Conclusion: Significant polymorphism and genetic diversity can be observed among *A. officinarum* germplasm resources.

keywords: *Alpinia officinarum* germplasm resources amplified fragment length polymorphism (AFLP) genetic diversity

[查看全文](#) [查看/发表评论](#) [下载PDF阅读器](#)