

水生态学杂志

[首页](#)[期刊简介](#)[编委会](#)[审稿说明](#)[投稿须知](#)[广告合作](#)[杂志订阅](#)[联系我们](#)

池蝶蚌mtDNA CO I 基因序列分析

Sequence Analysis of Mitochondrial CO I of *Hyriopsis schlegeli*

投稿时间: 2009-12-11 最后修改时间: 2009-12-13

中文关键词:[池蝶蚌](#) [线粒体](#) [CO I 基因](#) [人工选育](#) [序列分析](#)

英文关键词: [Hyriopsis schlegeli](#) [Mitochondrion](#) [CO I gene](#) [Selected breeding](#) [Sequence analysis](#)

基金项目:农业部948项目(2004-T9), 国家发改办([2005]1899)

作者	单位	E-mail
王军花	南昌大学生命科学与食品工程学院	
曾柳根	南昌大学生命科学与食品工程学院	
林巧惠	南昌大学生命科学与食品工程学院	
盛军庆	南昌大学生命科学与食品工程学院	
徐毛喜	江西抚州市洪门水库开发公司	
龚贵如	南昌大学生命科学与食品工程学院	
洪一江	南昌大学生命科学与食品工程学院	yjhong2008@163.com

摘要点击次数: **274**

全文下载次数: **70**

中文摘要:

以三角帆蚌(*Hyriopsis cumingii*)线粒体DNA设计特异性引物,对池蝶蚌(*H. schlegelii*)的线粒体CO I基因进行PCR扩增,以期了解的选育效果。结果表明:在10个个体中均得到序列一致的CO I序列,长度为1542bp; A、T、G、C含量分别为18.1%(280个)、41.8%(644个)、4%(392个)和14.7%(226个), A+T含量(59.9%)明显高于G+C含量(40.1%),与其他无脊椎动物相同基因片段碱基含量相似。该基因中密码子(U)的使用频率很高,第1位核苷酸中T和G的含量较为一致分别为32.0%和30.8%;密码子第2位上碱基T的使用比率高达42.7%,碱基G的使用比率低至17.7%;密码子第3位上碱基T的使用比率高达50.7%,而碱基C的使用比率仅为6.6%。BLAST结果显示池蝶蚌与其他淡水贝类的CO I基因具有较高的同源性,其中与三角帆蚌相似性为95%,MP法构建的分子系统进化树表明:池蝶蚌CO I基因与三角帆蚌CO I基因亲缘关系最近。以上结果表明:池蝶蚌经过人工选育后已初步成为一个纯系,遗传性稳定。

英文摘要:

王军花,曾柳根,林巧惠,盛军庆,徐毛喜,龚贵如,洪一江.2010.池蝶蚌mtDNA CO I 基因序列分析[J].水生态学杂志,31(5):21-26.