

水生态学杂志

[首页](#)[期刊简介](#)[编委会](#)[审稿说明](#)[投稿须知](#)[广告合作](#)[杂志订阅](#)[联系我们](#)

池蝶蚌mtDNA CO I 基因序列分析

Sequence Analysis of Mitochondrial CO I of *Hyriopsis schlegelii*

投稿时间: 2009-12-11 最后修改时间: 2009-12-13

中文关键词: [池蝶蚌](#) [线粒体](#) [CO I 基因](#) [人工选育](#) [序列分析](#)

英文关键词: [Hyriopsis schlegelii](#) [Mitochondrion](#) [CO I gene](#) [Selected breeding](#) [Sequence analysis](#)

基金项目: 农业部948项目 (2004-T9), 国家发改办 ([2005]1899)

作者	单位	E-mail
王军花	南昌大学生命科学与食品工程学院	
曾柳根	南昌大学生命科学与食品工程学院	
林巧惠	南昌大学生命科学与食品工程学院	
盛军庆	南昌大学生命科学与食品工程学院	
徐毛喜	江西抚州市洪门水库开发公司	
龚贵如	南昌大学生命科学与食品工程学院	
洪一江	南昌大学生命科学与食品工程学院	yjhong2008@163.com

摘要点击次数: 274

全文下载次数: 70

中文摘要:

以三角帆蚌 (*Hyriopsis cumingii*) 线粒体DNA设计特异性引物, 对池蝶蚌 (*H. schlegelii*) 的线粒体CO I 基因进行PCR扩增, 以期了解的选育效果。结果表明: 在10个个体中均得到序列一致的CO I 序列, 长度为1542bp; A、T、G、C含量分别为18.1% (280个)、41.8% (644个)、4% (392个)和14.7% (226个), A+T含量 (59.9%) 明显高于G+C含量 (40.1%), 与其他无脊椎动物相同基因片段碱基含量相似。该基因中密码子 (U) 的使用频率很高, 第1位核苷酸中T和G的含量较为一致分别为32.0%和30.8%; 密码子第2位上碱基T的使用比率高达42.7%, 碱基G的使用比率低至17.7%; 密码子第3位上碱基T的使用比率高达50.7%, 而碱基C的使用比率仅为6.6%。BLAST结果显示池蝶蚌与其他淡水贝类的CO I 基因具有较高的同源性, 其中与三角帆蚌相似性为95%, MP法构建的分子系统进化树表明: 池蝶蚌CO I 基因与三角帆蚌CO I 基因亲缘关系最近。以上结果表明: 池蝶蚌经过人工选育后已初步成为一个纯系, 遗传性稳定。

英文摘要:

王军花, 曾柳根, 林巧惠, 盛军庆, 徐毛喜, 龚贵如, 洪一江. 2010. 池蝶蚌mtDNA CO I 基因序列分析[J]. 水生态学杂志, 31(5):21-26.