鱼类肠道微生物总DNA的提取

Genomic total DNA extraction from Carassius auratus intestinal microorganism

投稿时间: 2009-11-09 最后修改时间: 2009-12-14

中文关键词:鲫 肠道细菌 DNA提取

英文关键词:Carassiusauratus <u>Enterobacteria</u> <u>DNAextraction</u>

基金项目:湖北省教育厅重点项目 (D200618007)

作者	单位
<u>汪 明</u>	动物营养与饲料科学湖北省重点实验室,武汉工业学院,湖北武汉 430023
<u>刘军</u>	武汉工业学院动物科学与营养工程学院
陈爱敬	动物营养与饲料科学湖北省重点实验室,武汉工业学院,湖北武汉 430023
赵胜军	动物营养与饲料科学湖北省重点实验室,武汉工业学院,湖北武汉 430023
<u>黄峰</u>	动物营养与饲料科学湖北省重点实验室,武汉工业学院,湖北武汉 430023
刘立鹤	动物营养与饲料科学湖北省重占实验室、武汉工业学院、湖北武汉 430023

摘要点击次数:668

全文下载次数:79

中文摘要:

尝试提取鲫(Carassiusauratus)肠道菌群总DNA,为研究鱼类肠道菌群结构提供依据。以鲫肠道内容物为样本,用PBS多次洗涤,离心样品,沉淀菌体。使用试剂盒法提取肠道菌群总DNA,电泳结果显示,样品DNA条带明亮,无降解现象,可用于后续分子生物学试验研究;通过设计的细菌通用引物,对其16SrDNA基因进行PCR扩增,得到较清晰的图谱,条带整齐;表明采用该方法提取鱼类肠道微生物群落的DNA较为简单、准确、可行。

英文摘要:

To tal DNA of intestinal tractbacteria from Carassius auratus intestinal were extracted to investigate intestinal microflora. Taking the intestinal substance of fish as sample to precipitate bacteria through PBS cleaning and centrifuge. Using Bacterial DNAK it to extraction intestinal tractbacteria to tal DNA, subsequently used as templates in PCR. The electrophores is implied that the banding—patterns of differents amples were bright and non degeneration phenomenon. The 16SrDNA was amplified from these DNAs amples through as et of bacteria—specific primers, obtained the clear at las and neatly bands. It is indicated that using this method to extract intestinal tractmicroflora DNA of fish is simple, accurate and feasible.

汪 明,刘军,陈爱敬,赵胜军,黄峰,刘立鹤,2010.鱼类肠道微生物总DNA的提取[J].水生态学杂志,31(3):118-121.

查看全文 查看/发表评论 下载PDF阅读器

关闭