

ABCA1 基因启动子区 -477C/T 单核苷酸多态性在中国汉族正常人群中的分布及对血脂的影响

刘胜林, 郭志刚, 赖文岩, 屠 燕, 陈建庭(第一军医大学南方医院心内科, 广东 广州 510515)

摘要:目的 研究 ATP 结合盒转运子 A1 (ABCA1) 基因启动子区 -477C/T 单核苷酸多态性 (SNP) 在中国汉族正常人群中的分布及其对血脂的影响。方法 用聚合酶链反应 - 限制性酶切片段长度多态性分析法 (PCR-RFLP) 检测 113 例中国汉族正常人 ABCA1 基因启动子区 -477C/T SNP 三种基因型在正常人群中的分布及其与临床指标的关系。结果 ABCA1 基因启动子区 -477C/T SNP 存在于中国汉族正常人群中; 其基因型分布为: CC 基因型 37.2% (42 例), CT 基因型 46.9% (53 例), TT 基因型 15.9% (18 例)。三种基因型间比较, TT 基因型血高密度脂蛋白水平明显低于 CC 基因型 ($P < 0.05$), 而总胆固醇、甘油三酯、低密度脂蛋白、极低密度脂蛋白、体重指数等指标在三种基因型间差异无显著性 ($P > 0.05$)。结论 在中国汉族正常人群中, TT 基因型可明显影响血浆高密度脂蛋白水平。

关键词:ATP 结合盒转运子 A1; 单核苷酸多态性; 血脂

中图分类号: R392.13; R394.5 文献标识码: A 文章编号: 1000-2588(2004)06-0650-03

Distribution of -477C/T single nucleotide polymorphism in the promoter region of ABCA1 gene and its significance for plasma lipids levels in normal Chinese Han population

LIU Sheng-lin, GUO Zhi-gang, LAI Wen-yan, TU Yan, CHEN Jian-ting

Department of Cardiology, Nanfang Hospital, First Military Medical University, Guangzhou 510515, China

Abstract: Objective To investigate the distribution of -477C/T single nucleotide polymorphisms (SNP) in the promoter region of ATP binding cassette transporter (ABCA1) gene and its relation to plasma lipid levels in normal Chinese Han population.

Methods The three genotypes of -477C/T polymorphisms in the promoter region of the ABCA1 gene were detected using polymerase chain reaction-restriction fragment length polymorphism (PCR-RFLP) in 113 normal Chinese Han subjects.

Results -477C/T SNP was present in normal Chinese Han population, and 37.2% (42) of the examined subjects belonged to the genotype of CC, 46.9% (53) belonged to CT and 15.9% (18) to TT. The individuals with the TT genotype had a lower plasma high-density lipoprotein cholesterol (HDL-C) level than those with the CC genotype ($P < 0.05$). No association was found between the genotypes and plasma levels of total cholesterol, triglyceride, low-density lipoprotein, very low-density lipoprotein and body mass index. **Conclusion** The TT genotype significantly influences the plasma levels of HDL-C in normal Chinese Han individuals.

Key words: ATP-binding cassette transporter A1; single nucleotide polymorphism; plasma lipids

1999 年 Bodzioch 等^[1,2]首次明确 ATP 结合盒转运子 A1 (ABCA1) 基因突变是 Tangier 病的病因。ABCA1 不仅在 Tangier 病人中起重要作用, 而且在正常细胞, 细胞膜上的 ABCA1 转运细胞内的游离胆固醇、磷脂至细胞外并与载脂蛋白 A-I (apoA-I) 结合, 形成扁平高密度脂蛋白 (HDL), 后者再接受游离胆固醇和磷脂形成成熟 HDL, 它是调节细胞内游离胆固醇、磷脂外流的限速基因^[3]。此后, 人们发现在冠心病人存在 ABCA1 基因单核苷酸多态性 (SNP), 部分编码区 SNP 与冠心病人血浆 HDL、apoA-I 水平、

收稿日期: 2003-12-15

基金项目: 国家自然科学基金 (30171028); 广东省自然科学基金 (010616)

Supported by National Natural Science Foundation of China (30171028) and by Natural Science Foundation of Guangdong Province (010616)

作者简介: 刘胜林 (1964-), 男, 第一军医大学在读硕士研究生, 主治医师, 讲师

通讯作者: 郭志刚, E-mail: guodoc@hotmai.com

冠心病事件及冠脉病变程度等存在相关性^[4,5]。在普通人群中, 不同种族、不同地域, 特定的 SNP 并不一定都存在, 其所占的比率也不尽相同, 但大约有 85% 是共同的^[6]。2001 年 Lutucuta 等^[7]研究表明: 在美国冠心病人群中, 存在 3 个新的变异位点: -477C/T、-419A/C 和 -320G/C; -477C/T 基因多态性与冠状动脉狭窄相关, 但 HDL-C 及 apoA-I 水平仅表现为轻度减低。还有研究表明: ABCA1 基因启动子区 -14C>T 的 SNP 对新加坡健康华人 HDL-C 也有明显影响^[8]。因此, 我们分析中国汉族正常人群是否存在 ABCA1 基因启动子区 -477C/T SNP, 并研究其分布及对血脂的影响。

1 对象和方法

1.1 对象

113 例均中国汉族正常人, 其中男 70 例、女 43 例, 年龄 (53.45 ± 10.87) 岁。经询问病史、体检、实验室

检查(血、尿、便常规、血脂、血糖、肝、肾功能)、心电图检查排除冠心病、肿瘤、严重肝肾等疾病。为进一步分析,按年龄分为两组:(1)年龄大于或等于60岁为老年人组;(2)年龄小于60岁为中青年组。按性别分为两组:(1)男性组;(2)女性组。

1.2 方法

基因组DNA的提取:外周静脉血5 ml,ACD抗凝,用酚-氯仿法提取基因组DNA。^{ABCA1}基因启动子区-477C/T基因型用聚合酶链反应—限制性酶切片段长度多态性分析法(PCR-RFLP)分析。引物由上海生物工程有限公司合成,上游:5'-CTC GGG TCC TCT GAG GGA CCT-3',下游:5'-CCG CAG ACT CTC TAG TCC AC-3'。PCR反应体系50 μl,含提取DNA2 μl、10×Buffer5 μl、25 mmol/L MgCl₂3 μl、Taq酶2.5 U、2.5 mmol/L dNTP4 μl、10 μmol/L引物各2 μl(Buffer、MgCl₂、Taq酶、dNTP由大连宝生物有限公司提供)。PCR反应条件:95℃预变性120 s;94℃变性30 s、60℃退火60 s、72℃延伸60 s,共35个循环;72℃终末延伸10 min。PCR产物用特异性限制性内切酶^{ACIL}消化,37℃过夜。2%琼脂糖凝胶电泳分析结果。临床指标测定:体重指数(BMI)=体重/身高²;空腹血糖、甘油三酯(TG)、总胆固醇(TC)、高密度脂蛋白(HDL-C)、低密度脂蛋白(LDL-C)、极低密度脂蛋白(VLDL-C)、肝肾功能均由自动生化分析仪测量。

1.3 统计学处理

用SPSS10.0统计软件分析,不同基因型与临床相关指标的比较用方差分析,基因型与分组的比较采用χ²检验。

2 结果

2.1 ^{ABCA1}基因启动子区-477C/T SNP在中国正常人群中的分布

^{ABCA1}基因启动子区PCR扩增产物长度为351 bp。凝胶分析(图1)显示为一条351 bp的DNA条带。经^{ACIL}酶切后为3种基因型,分别是CC、CT、TT基因型。CC基因型有148、130、73 bp三个片段,其中148、130 bp两条带因为相对分子质量接近而显示为一条带,故显示为两条带;CT基因型含278、148、130、73 bp四个片段,显示为三条带;TT基因型含278、73 bp两个片段,显示为两条带。^{ABCA1}基因-477C/T SNP在中国正常人群中的分布为:CC基因型37.2%(42例),CT基因型46.9%(53例),TT基因型15.9%(18例)。

2.2 ^{ABCA1}基因启动子区-477C/T SNP与临床指标的关系

结果(表1)显示:TT基因型与CC基因型相比,血浆HDL-C水平明显降低($P<0.05$),但TT基因型

与CT基因型、CT基因型与CC基因型相比差异无显著性($P>0.05$)。三种基因型间TC、TG、LDL、VLDL及BMI差异无显著性($P>0.05$)。

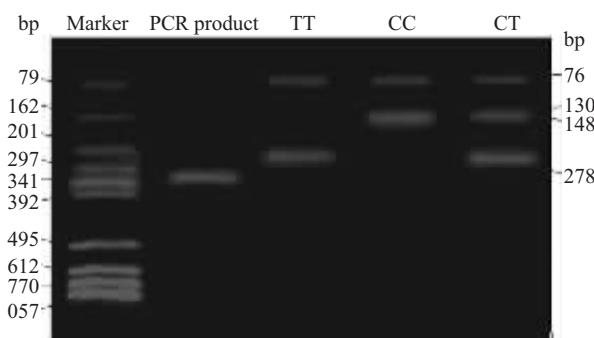


图1 PCR产物及^{ACIL}限制性内切酶酶切产物2%琼脂糖电泳图

Fig.1 2% agarose gel electrophoretogram of the PCR and ^{ACIL} restriction endonuclease digestion products

表1 ^{ABCA1}基因启动子区-477C/T SNP与临床指标的关系

Tab.1 Relation between the clinical indexes and -477C/T single nucleotide polymorphism (SNP) in the promoter region of ATP-binding cassette transporter 1 gene

Index	Genotype		
	CC	CT	TT
TC (mmol/L)	4.59±0.79	4.66±0.86	4.54±0.77
TG (mmol/L)	1.39±0.47	1.45±0.68	1.41±0.71
HDL-C (mmol/L)	1.32±0.34	1.28±0.24	1.13±0.23*
LDL (mmol/L)	2.39±0.58	2.48±0.64	2.33±0.49
VLDL (mmol/L)	1.02±0.28	1.01±0.26	0.99±0.21
BMI (kg/m ²)	23.94±2.01	23.46±2.67	23.86±2.77

* $P<0.05$ vs CC. TC: Total cholesterol; TG: Triglyceride; HDL-C:

High-density lipoprotein cholesterol; LDL: Low-density lipoprotein; VLDL: Very low-density lipoprotein; BMI: Body mass index

2.3 ^{ABCA1}基因启动子区-477C/T SNP与年龄的关系

结果(表2)显示:^{ABCA1}基因启动子区-477C/T SNP在两个年龄组的分布差异无显著性意义($P>0.05$)。

表2 ^{ABCA1}基因启动子区-477C/T SNP在不同年龄组中的分布频率

Tab.2 Distribution frequency of the -477C/T SNP in the promoter region of ATP-binding cassette transporter 1 gene in different age groups

Group	Genotype		
	CC	CT	TT
Age≥60 years	13(36.1%)	17(47.2%)	6(16.7%)
Age<60 years	29(37.6%)	36(46.8%)	12(15.6%)

2.4 ^{ABCA1}基因启动子区-477C/T SNP与性别的关系

结果(表3)显示:^{ABCA1}基因启动子区-477C/T

SNP 在不同性别组的分布差异无显著性意义 ($P>0.05$)。

表 3 ABCA1 基因启动子区 -477C/T SNP 在不同性别组中的分布频率

Tab.3 Distribution frequency of the -477C/T SNP in the promoter region of ATP-binding cassette transporter 1 gene in relation to sex

Group	Genotype		
	CC	CT	TT
Male	25 (35.7%)	32 (45.7%)	13 (18.6%)
Female	17 (39.5%)	21 (48.9%)	5 (11.6%)

3 讨论

过去的多项研究证实:TC、HDL-C 与冠心病相关,HDL-C 是预测冠心病的可靠指标,TC/HDL 预测老年冠心病危险性更有效^[9~11]。HDL 具有抗动脉粥样硬化的作用,其机制之一是 HDL 及其载脂蛋白的胆固醇逆转运功能。周围组织细胞中胆固醇外流是胆固醇逆转运的关键的第一步,而 ABCA1 基因是转运细胞内胆固醇外流、启动胆固醇逆转运的关键基因。ABCA1 基因的研究源于 Tangier 病。Tangier 病是一种罕见的常染色体隐性遗传病,表现为血 HDL-C 极度减少、肝脾肿大、周围神经病变、早发冠心病,现已证实 ABCA1 基因突变是 Tangier 病的原因。在普通人群中,最常见的遗传变异是 SNP。已报道的常见 ABCA1 基因 SNP 如 I/M823 可显著改变血 HDL-C 水平^[12]。因此,人们越来越关注在普通人群中 ABCA1 基因 SNP 与血脂水平和冠心病的关系。已有多项研究表明,在普通人群中 ABCA1 基因的 SNP 所表现出的作用截然不同:有的增加冠心病的危险,但对 HDL-C、载脂蛋白 A1 血浆浓度无明显影响;有的可降低甘油三酯、增加 HDL-C、对冠心病具有保护作用;有的仅对血脂有影响,但与冠心病无明显关联^[13~16]。在现代社会中,冠心病的发病率日益上升,其对人们健康的危害也愈来愈大。因此,发现普通人群中对血脂有明显影响、与冠心病相关的基因变异,对冠心病的预防和治疗具有十分重要的意义。

本研究结果发现,ABCA1 基因启动子区 -477C/T SNP 存在于中国汉族正常人群中,与 Lutucuta 等^[7]的研究结果比较,TT 基因型略低,而 CC 基因型略高,CT 基因型近似。三种基因型在年龄及性别上的分布频率差异无显著性。此外,三种基因型 TC、TG、LDL、VLDL 及 BMI 差异无显著性。值得注意的是 TT 基因型 HDL-C 水平较 CC 基因型明显减低($P<0.05$)。上述结果显示,ABCA1 基因启动子区 -477C/T SNP 是影响中国汉族正常人群血浆 HDL 水平的一个因素,但这是否表明 TT 基因型携带者是冠心病潜在的高发人群,目前还不能确定,尚须进一步研究。

参考文献:

- Bodzioch M, Orso E, Klucken J, et al. The gene coding ATP-binding cassette transporter 1 is mutated in Tangier disease [J]. Nat Genet, 1999, 22(4): 347~51.
- Rust S, Rosier M, Funke H, et al. Tangier disease is caused by mutations in the gene encoding ATP-binding cassette transporter 1 [J]. Nat Genet, 1999, 22(4): 352~5.
- Young SG, Fielding CJ. The ABCs of cholesterol efflux [J]. Nat Genet, 1999, 22(4): 316~8.
- Brousseau ME, Bodzioch M, Schaefer EJ, et al. Common variants in the gene encoding ATP-binding cassette transporter 1 in men with low HDL cholesterol levels and coronary heart disease [J]. Atherosclerosis, 2001, 154(3): 607~11.
- Evans D, Beil FU. The association of the R219K polymorphism in the ATP-binding cassette transporter 1 (ABCA1) gene with coronary heart disease and hyperlipidaemia [J]. J Mol Med, 2003, 81(4): 264~70.
- Barbujani G, Magagni A, Minch E, et al. An apportionment of human DNA diversity [J]. Proc Natl Acad Sci USA, 1997, 94(9): 4516~9.
- Lutucuta S, Ballantyne CM, Elghannam H, et al. Novel polymorphism in promoter region of ATP binding cassette transporter gene and plasma lipids, severity, progression, and regression of coronary atherosclerosis and response to therapy [J]. Circ Res, 2001, 88(9): 969~73.
- Tan JH, Low PS, Tan YS, et al. ABCA1 gene polymorphism and their associations with coronary disease and plasma lipids in males from three ethnic populations in Singapore [J]. Hum Genet, 2003, 113(2): 106~17.
- Wilson PW, Abbott RD, Castelli WP, et al. High density lipoprotein cholesterol and mortality. The Framingham heart study [J]. Arteriosclerosis, 1988, 8(6): 737~41.
- Goldbourt U, Yaari S, Medalie JH, et al. Isolated low HDL as a risk factor for coronary heart disease mortality: a 21 year follow-up of 8000 men [J]. Arterioscler Thromb Vasc Biol, 1997, 17(1): 107~13.
- 李俊, 李小敏, 杨俊, 等. 老年冠心病冠脉造影结果与中医证型、血脂及脂蛋白亚组分胆固醇含量关系的研究 [J]. 第一军医大学学报 (J First Mil Med Univ/Di Yi Jun Yi Da Xue Xue Bao), 1999, 19(4): 35~6.
- Wang J, Burnett JR, Near S, et al. Common and rare ABCA1 variants affecting plasma HDL cholesterol [J]. Arterioscler Thromb Vasc Biol, 2000, 20(8): 1983~9.
- Harada T, Imai Y, Nojiri T, et al. A common Ile 823Met variant of ATP-binding cassette transporter A1 gene (ABCA1) alters high density lipoprotein cholesterol level in Japanese population [J]. Atherosclerosis, 2003, 169(1): 105~12.
- Clee SM, Zwinderman AH, Engert JC, et al. Common genetic variation in ABCA1 is associated with altered lipoprotein level and a modified risk for coronary artery disease [J]. Circulation, 2001, 103(9): 1198~205.
- Zwartz KY, Clee SM, Zwinderman AH, et al. ABCA1 regulatory variants influence coronary artery disease independent of effects on plasma lipid levels [J]. Clin Genet, 2002, 61(2): 115~25.
- Srinivasan SR, Li S, Chen W, et al. R219K polymorphism of the ABCA1 gene and its modulation of the variations in serum high-density lipoprotein cholesterol and triglycerides related to age and adiposity in white versus black young adults [J]. Metabolism, 2003, 52(7): 930~4.