

应用 PCR 快速制备乙型肝炎病毒诊断基因芯片探针

孙朝晖^{1,2} 郑文岭¹ 袁向明² 张宝² 梁² 马晓冬² 石嵘² 马文丽² 广州军区广州总医院肿瘤分子生物学研究所 广东 广州 510010 第一军医大学分子生物学研究所 广东 广州 510515

摘要 目的 应用 PCR 技术扩增乙型肝炎病毒保守区域基因片段并进行克隆测序分析制备联合诊断乙型肝炎病毒基因芯片探针。方法 利用 Oligo6.4 软件分别针对乙型肝炎病毒基因保守区域设计 PCR 引物。纯化 PCR 扩增产物后将扩增后的产物克隆至 pMD18-T 载体并进行快速鉴定。提取阳性克隆质粒进行测序分析及鉴定。结果 获得多个乙型肝炎特异性基因片段。序列分析表明扩增的片段均属于乙型肝炎病毒特异基因。结论 利用 PCR 扩增产物制备基因芯片探针是一种快速简便的实用方法。

关键词 肝炎病毒, 乙型肝炎病毒, 丁型肝炎病毒, 聚合酶链反应, 基因芯片, 分子探针技术

中图分类号 R394.2 文献标识码 A 文章编号 1000-2588(2003)07-0677-03

Rapid preparation of DNA microarray using PCR for hepatitis B and D virus detection

SUNZhao-hui^{1,2}, ZHENG Wen-ling¹, MAOXiang-ming², ZHANGBao², Liang², MAXiao-dong², SHIRong², MAWen-li²

¹Institute of Molecular Oncology, Guangzhou General Hospital of Guangzhou Command, Guangzhou 510010, China;

²Institute of Molecular Biology, First Military Medical University, Guangzhou 510515, China

Abstract: Objective To prepare DNA microarray for detecting both hepatitis B and D viruses (HBV and HDV). Methods With the assistance of Oligo6.4 software, specific PCR primers targeting the conserved region of HBV and HDV were redesigned. The PCR products were purified and cloned into the pMD18-T vectors, followed by rapid identification. The recombinant plasmids were then extracted from positive clones and the target gene fragments underwent sequence analysis. Results The gene fragments of HBV and HDV were obtained by PCR, which were confirmed by sequence analysis to be specific gene fragments of HBV and HDV. Conclusion Using PCR amplification products to prepare the DNA microarray is quick, simple and effective.

Key words: hepatitis B virus; hepatitis D virus; polymerase chain reaction; DNA microarray; molecular probe techniques

在尚无特效抗肝炎药的情况下, 对肝炎的早期诊断和预防将是目前控制肝炎继续发展的重要途径。DNA 基因芯片技术为肝炎病毒诊断提供了一种快速、高效、敏感、经济、自动化的检测方法。与传统基因诊断技术相比,DNA 芯片技术具有明显的优势。^{1,2} 其突出特点是集成化、微型化、自动化。我们应用 PCR 快速制备乙型肝炎病毒(HBV)和丁型肝炎病毒(HDV)诊断基因芯片探针,探索此方法制备基因芯片探针的可行性。

1 材料和方法

收稿日期 2002-12-09

基金项目 国家自然科学基金(39880032) 广州市重点科技攻关项目(99-Z-022-01)

Supported by National Natural Science Foundation of China (39880032) and by Key Sci-tech Research Project of Guangzhou Municipality (99-Z-022-01)

作者简介 孙朝晖, 男, 上海人, 1992 年毕业于第三军医大学, 主管技师, 现为第一军医大学在读硕士研究生。

通讯作者 马文丽, 电话 20-61648210, E-mail: Wenli@fimmu.edu.cn

1.1 材料

探针模板 HBV 直接来自临床确诊乙型肝炎患者 DNA 阳性血清, 实验室检查院肝病毒血清标志物 HBsAg/HBcAg, 抗 HBC 阳性, 肝功能异常。HDV 质粒 pCDNA3.1(+)由台湾大学医学院肝病研究中心陈培哲教授馈赠。受体菌 XL-1 由本室保存。pMD18-T Vector, PCR 试剂盒购自大连宝生物公司。质粒抽提试剂盒购自上海博彩生物公司。HBV 和 HDV PCR 引物由上海博亚生物技术有限公司合成。

1.2 方法

1.2.1 HBVDNA 提取 HBVDNA 阳性血清 100 μL 加入 100 μL DNA 裂解液(5 mmol/L 醋酸胺, 5 mmol/L EDTA, 2% SDS, 1 mg/ml 蛋白酶 K), 55℃ 消化 2 h 后常规苯酚和氯仿抽提。

1.2.2 HDV 质粒的 EcoR I 酶切初步鉴定 0.2~0.5 μg 质粒于 20 μL 酶切反应体系中, 37℃ 水浴 4~5 h。酶切产物电泳。

1.2.3 引物设计 针对 HBV 和 HDV 保守区域分别设计 10 对引物。

表 1 PCR 合成引物序列表

Tab.1 Sequences of the synthesized primers for PCR

Virus	Primers(5'—3')	Length of the fragments(bp)
	P1:ACTCGTGGTGGACTCTCTC	414
	P2:GAACCACTGAACAAATGGCA	
	P3:CATCTTCTGTTGGTCTTCTG	373
	P4:TTAGGGTTCAAATGTATACCC	
	P5:CTGTGAGGAGTTGGGGAGGAGATT	610
	P6:GGCGAGGGAGTTCTCTCTAGGG	
	P7:GGGTCAACATATTCTTGG	260
	P8:CCCTGAGCCTGAGGCTCCACC	
	P9:CTCCAGTTCAAGAACAGTAAACCC	726
HBV	P10:ATAACTGAAAGCCAAACAGTGGG	
	P11:ATTCCATGGGAGTGCGCTCAG	716
	P12:GCAGCACGCCCTAGCAGCCATGG	
	P13:CCATACTGCGGAACCTCTAGC	735
	P14:CAATGCTCAGGAGACTCTAAGGC	
	P15:GGAGCTACTGTGGAGTTACTCTC	431
	P16:CTTCGTCTCGCAGGGCAGGG	
	P17:GGCAGGTCCCCTAGAAGAAGAACT	628
	P18:TTGGGATTGAAGTCCCAATCTGG	
	P19:GGGGTGGAGCCCTCAGGCTCAGG	300
	P20:CTGTAACACGAGAAGGGTCTAG	
	P1:GGAGACCGAAGCGAGGAGGAAAGCA	468
	P2:CGACCTGGGCATCCGAAGGAGGACG	
	P3:CTGCAGGGTCCGCGTCCATCCTT	266
HDV	P4:CCAGTGAATAAGCGGGTTTC	
	P5:CGACCCGAAGAGGAAAGAAGGACGC	255
	P6:GGTGTGAACCCCTCGAAGGTGG	
	P7:CTTCGTGGTGATCTGCCTCT	333
	P8:CCAGCAGTCTCCTTTACAGA	

1.2.4 PCR 扩增 HBV 院 4 益尧 min 羔 4 益尧 5 s 袁 5 益尧 5 s 羌 2 益尧 5 s 袁 0 个循环袁 2 益尧 min 日 HDV 院 4 益尧 5 min 袁 4 益尧 5 s 袁 0 益尧 5 s 袁 2 益尧 0 s 袁 0 个循环袁 72 益尧 min 遥

1.2.5 1.5%琼脂糖凝胶电泳 观察结果遥

1.2.6 纯化 PCR 产物 按照纯化试剂盒操作说明书 操作遥部分纯化后 PCR 产物放 -20 益留作探针待用

1.2.7 纯化 PCR 产物 T 载体克隆 将纯化 PCR 产物 与 pMD18-T 载体连接袁 6 益尧 h 遥转化 XL-1 细菌袁 平板克隆遥用 pMD18-T 载体引物漏|物 A 院 5'-CTA AAACGACGCCAGT-3' 曰引物 B 院 5'-CAGGAAACA GCTATGAC-3' 初步鉴定后袁 对所有 14 个克隆测序遥

1.2.8 Blast 检索分析 对测序结果进行同源性比较遥

2 结果

2.1 HDVcDNA 质粒 pCDNA3.1(+)'的酶切

根据限制酶 EcoR I 酶切位点袁质粒消化后被切

成两个片段漏图 1 其中小片段为 645bp 袁大片断为 约为 6300bp 袁与理论预期值值一致遥

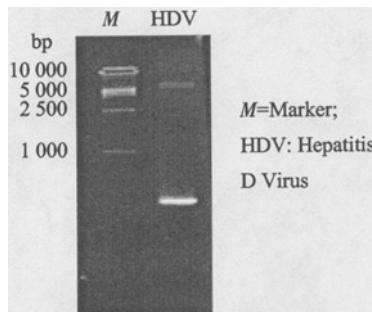


图 1 HDV 质粒 cDNA 限制性内切酶酶切结果

Fig.1 Restriction enzyme analysis of plasmid cDNA from HDV on 1.5% agarose gel

2.2 PCR 产物反应结果

PCR 扩增 HBV 得到 10 个片段袁 0.5% 琼脂糖凝胶电泳可得清晰的电泳图漏图 2 其中片段大小与理论预期值一致遥

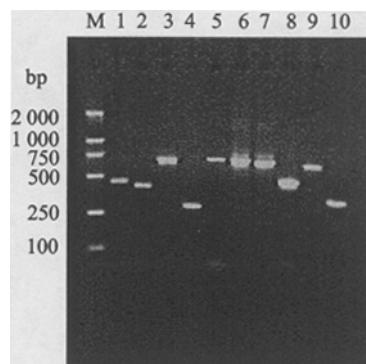


图 2 HBV PCR 产物片段漏 0 条琼脂糖电泳图

Fig.2 Agarose gel electrophoresis of 10 fragments of HBV PCR products by different primer combinations

PCR 扩增 HDV 得到 4 个片段袁 0.5% 琼脂糖凝胶电泳可得清晰的电泳图漏图 3 其中片段大小与理论预期一致遥

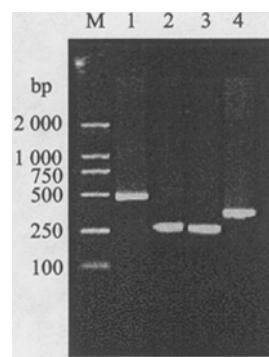


图 3 HDV PCR 产物片段漏 4 条琼脂糖电泳图

Fig.3 Agarose gel electrophoresis of 4 fragments of HDV PCR products by different primer combinations

2.3 序列分析

HBV 和 HDV 基因通过 PCR 方法分别得到了 10 个和 4 个不同基因片段的克隆。用 ABI PRISM 310 自动测序仪对所有 14 个克隆片段进行序列测定，然后与 GenBank 进行 BLAST 比较，结果表明克隆片段均分别属于 HBV 和 HDV 基因，与理论预期一致。

3 讨论

我国是乙型病毒性肝炎的高流行区。全球 HBs-Ag 总携带率的近 50% 的人为 HBsAg 携带者。发病率为 158/10 万。患慢性乙型肝炎的病人约 1500 万。HBV 慢性感染的人群罹患原发性肝细胞癌的相对危险性至少增加 300 倍。丁型肝炎病毒是一种缺陷病毒，需要乙型肝炎病毒的辅助才能感染和复制。乙型肝炎病毒患者重叠感染丁型肝炎病毒常导致肝炎的重型化和慢性化。

目前临幊上诊断乙型肝炎病毒的主要方法有免疫学上传统的酶联免疫吸附试验（ELISA）及分子生物学方法等。ELISA 方法检测的对象是抗原和抗体。由于人体对肝炎病毒产生免疫应答有一定迟滯，所以对无免疫应答者的检测存在困难。近年来发展的各种核酸杂交方法和 PCR 方法各具优点，可对其进行定性、半定量和定量检测。常规核酸杂交虽有一定的特异性，但敏感性较低。而 PCR 操作容易造成交叉污染，经常出现假阳性。假阴性结果可能存在操作较繁琐。一次检测的肝炎病毒种类有限。检测的效率和自动化程度不高。DNA 芯片技术为肝炎病毒诊断提供了一种快速、敏感、高通量、高效的方法。并可同时对多种肝炎病毒进行大规模筛查和多种肝炎种类的鉴定。芯片技术在病毒性肝炎诊断上的价值还在于能对各种肝炎病毒的各亚型、变异株、耐药性等情况通过一张芯片同时诊断出来。应用诊断芯片可为临幊上病毒性肝炎的诊断、用药疗效判定及疾病的发生发展与转归提供可靠依据。

基因芯片探针的制备一般可以通过以下两个途径：分子克隆结合 PCR 扩增基因片段；在 DNA 合成仪上人工合成寡核苷酸片段。前者目前应用已经十分广泛。利用 Oligo6.4 软件分别针对乙

型肝炎病毒设计 PCR 特异引物。在进行引物设计时尽量分别使扩增 HBV 和 HDV 的 PCR 反应退火温度保持一致。使 PCR 反应在相同反应体系下进行。操作更简单、方便。由于 PCR 方法简便，产物经纯化后能直接制备芯片探针。对简单基因组较小的乙型肝炎病毒， 2.2kb 的丁型肝炎病毒， 7.7kb 的利用此方法制备探针不失为一种快速、简单、低成本的实用方法。有较大的应用价值。

参考文献院

- 1 马文丽, 郑文岭. DNA 微集阵列技术的研究进展. 中国科学基金, 1999, 13(5): 270-3.
- 2 MaWL, ZhengWL. The research and development of DNA microarray technology. Chin Sci Found, 1999, 13(5): 270-3.
- 3 李凌, 马文丽. DNA 芯片技术研究进展. 中国生物化学与分子生物学报, 2000, 16(2): 151-5.
- 4 LiL, MaWL. The research and development of DNA gene chip technology. Chin Biochem Mol Biol, 2000, 16(2): 151-5.
- 5 PetrikJ. Microarray technology: the future of blood testing. Vox Sang, 2001, 80(1): 1-11.
- 6 金奇. 医学分子病毒学. 北京: 科学出版社, 2001. 325.
- 7 PorresJC, CarrenoV, BartolomeJ, et al. Treatment of chronic delta infection with recombinant human interferon alpha 2c at high doses. Hepatol, 1989, 9(3): 338-44.
- 8 毛向明, 马文丽, 姜立, 等. 应用 RD-PCR 方法制备 K562 细胞表达谱芯片基因探针. 第一军医大学学报, 2002, 22(6): 548-53.
- 9 MaoXM, MaWL, JiangL, et al. Application of restriction display PCR in preparing the probes of the gene chip for investigating gene expression profile of K562 cells. First Mil Med Univ/DiYiJun YiDaXueXueBao, 2002, 22(6): 548-53.
- 10 冯春琼, 马文丽, 李凌, 等. As₂O₃ 处理前后 K562 细胞基因表达变化的基因芯片检测. 第一军医大学学报, 2002, 22(9): 772-5.
- 11 FengCQ, MaWL, LiL, et al. Analysis with DNA chips of the changes of gene expressions in K562 cells in response to As₂O₃ treatment. First Mil Med Univ/DiYiJun YiDaXueXueBao, 2002, 22(9): 772-5.
- 12 李凌, 马文丽, 祝骥, 等. 用 RD-PCR 技术制备 HIV 基因芯片探针. 中国生物化学与分子生物学报, 2002, 18(1): 105-9.
- 13 LiL, MaWL, ZhuJ, et al. Preparation of HIV gene chip probes by RD-PCR technology. Chin J Biochem Mol Biol, 2002, 18(1): 105-9.

责任编辑：黄开颜 审稿：陈海英