

c-MYC 与大肠癌血管生成的关系及临床意义

陈立平, 邓长生, 吴 江

陈立平, 邓长生, 吴江, 武汉大学中南医院消化内科 湖北省武汉市 430071
项目负责人: 陈立平, 430071, 湖北省武汉市武昌区东湖路 73 号, 武汉大学中南医院消化内科.
电话: 027-87330294
收稿日期: 2003-08-26 接受日期: 2003-11-06

摘要

目的: 探讨 c-MYC 与大肠癌血管生成的关系、可能机制及与临床病理特征间的关系.

方法: 采用免疫组化 S-P 法对 50 例大肠癌组织, 16 例正常大肠组织的 c-MYC、血管内皮生长因子(vascular endothelial growth factor, VEGF)及 CD34 进行检测.

结果: c-MYC 与 VEGF 的表达之间存在显著相关性($\chi^2 = 9.232, P = 0.002$), c-MYC、VEGF 阳性组及 c-MYC、VEGF 双阳性组的 MVD 值($43.3 \pm 9.6, 42.3 \pm 9.2, 42.6 \pm 8.9$)均显著高于 c-MYC、VEGF 阴性组及双阴性组的 MVD 值($t = 2.253, 2.105, 2.301, P < 0.05$); c-MYC、VEGF 及双阳性组大肠癌的淋巴结转移率明显高于阴性组($\chi^2 = 6.879, 5.711, P < 0.05$), 且以双阳性组最高(68.9%); c-MYC、VEGF 及双阳性组的阳性率随 Dukes 分期而增加($\chi^2 = 9.306, 6.330, 6.953, P < 0.05$); 而 c-MYC、VEGF 的阳性率与大肠癌的组织学类型及分化程度无关($P > 0.05$).

结论: c-MYC 与大肠癌的血管生成相关, 并可能是通过 VEGF 引起的, 这为以 c-MYC 为靶点的基因治疗提供了理论依据.

陈立平, 邓长生, 吴江. c-MYC 与大肠癌血管生成的关系及临床意义. 世界华人消化杂志 2004;12(4):985-987

<http://www.wjgnet.com/1009-3079/12/985.asp>

0 引言

血管生成对肿瘤的生长、侵袭、转移起着重要作用. 其出现在肿瘤发展的早期, 如没有血管生成, 肿瘤因得不到充足的血液供应而不能持续生长. c-MYC 不仅在细胞的增生与生长方面发挥重要作用, 而且其还是血管生成的重要调节者^[1]. 血管内皮生长因子是一个重要的血管生成因子, 在肿瘤的血管生成中发挥着重要作用. 为探讨 c-MYC 在大肠癌血管生成中的作用、可能机制及与临床病理特征间的关系, 我们采用免疫组化方法对 50 例大肠癌及 16 例正常标本的 c-MYC、VEGF、MVD 进行检测, 分析 c-MYC 与 VEGF 的表达及 MVD 间的关系, 现报道如下:

1 材料和方法

1.1 材料 中、晚期大肠癌标本 50 例, 正常大肠黏膜标本(癌旁 5-10 cm)16 例取自武汉大学中南医院 2002/

2003 新鲜手术标本. 50 例大肠癌中, 男 24 例, 女 26 例, 年龄最大 69 岁, 最小 24 岁, 平均年龄 50.28 岁. 所有患者手术前均未接受放疗与化疗. 根据全国大肠癌病理研究统一规范, 按组织学类型分为腺癌、黏液腺癌、印戒细胞癌; 按组织学分化程度分为高、中、低分化; 按 Dukes 分期分为 A、B、C 三期. 所有标本经 100 mL/L 的甲醛溶液固定, 常规石蜡包埋, 切片厚 4 μm . 鼠抗人 c-MYC、VEGF、CD34 单克隆抗体以及超敏 S-P 试剂盒均购自福州迈新公司.

1.2 方法

1.2.1 超敏 S-P 免疫组化染色法 一抗工作浓度为 1:50, 以乳腺癌切片作为 c-MYC 的阳性对照, 大肠癌切片作为 VEGF 的阳性对照, PBS 代替一抗作为阴性对照.

1.2.2 结果判定 MVD 计数: 在光镜下计数微血管, 凡染成棕色, 明显与微血管分开的内皮细胞或内皮细胞簇也可视为微血管(图 1). 先在低倍镜下找出微血管最丰富区, 在 200 倍视野下随机计数 5 个视野, 取平均数为此标本的 MVD 计数; 对 c-MYC、VEGF, 在高倍镜(400 倍)下随机数 5 个视野, 每视野连续数 100 个细胞, 数胞质或胞核染成棕黄色的细胞, 按平均率有 10% 以上细胞呈棕黄色定为阳性, 染色细胞数小于 10% 者为阴性.

统计学处理 统计分析使用 SPSS11.5 统计软件, 采用 χ^2 检验、确切概率法、t 检验对所得结果进行分析, $P < 0.05$ 为差异有显著性.

2 结果

2.1 c-MYC 与 VEGF 的表达特点及相关性 c-MYC 主要位于细胞质, 少数位于细胞核(图 2); VEGF 的表达主要位于细胞质, 也可见于细胞膜(图 3). 大肠癌组织中, c-MYC 表达主要位于细胞质, 也见于细胞核(图 4); VEGF 表达主要位于细胞质(图 5). 在大多数癌组织中, c-MYC 呈均一性表达, 在一些癌组织中则呈异质性表达, VEGF 亦如此. 正常大肠黏膜偶见黏膜上皮细胞表达 c-MYC, 但阳性细胞率低于 10%; 正常大肠黏膜未见 VEGF 表达. 在所检测的大肠癌标本中, c-MYC 与 VEGF 的表达之间存在显著相关性($\chi^2 = 9.232, P = 0.002$)(表 1).

表 1 c-MYC 与 VEGF 表达之间的关系

VEGF	c-MYC		合计
	阳性	阴性	
阳性	29	10	39
阴性	2	9	11
合计	31	19	50

$P < 0.01$.

2.2 c-MYC、VEGF与MVD、大肠癌临床病理特征间的关系 c-MYC、VEGF阳性组的MVD值显著高于阴性组的MVD值;同样c-MYC、VEGF双阳性组的MVD值也显著高于双阴性组. c-MYC、VEGF阳性组大肠癌淋巴结转移率明显高于阴性组;双阳性组大肠癌的淋巴结转移率明显高于双阴性组;双阳性组与单阳性组的转移率之间无显著性差异,但双阳性组的转移率高于单阳性组的转移率. 总体上, c-MYC、VEGF及双阳性组的阳性率随Dukes分期而增加,但Dukes A、B期间的c-MYC阳性率及Dukes B、C期间的VEGF阳性率差异无显著性,并且双阳性组Dukes B、C期的比率高于单阳性组; c-MYC、VEGF及双阳性组的阳性率与大肠癌的组织学类型及分化程度无关(表2).

表2 c-MYC、VEGF与MVD、大肠癌临床病理特征间的关系

项目	c-MYC		VEGF		c-MYC、VEGF共表达	
	阳性	阴性	阳性	阴性	双阳性	双阴性
组织学类型						
腺癌	24	16	32	8	22	7
黏液腺癌	5	2	5	2	5	1
印戒细胞癌	2	1	2	1	2	1
分化程度						
高	12	4	14	2	11	2
中	17	12	21	8	16	6
低	2	3	4	1	2	1
淋巴结转移						
有	20	5 ^b	23	2 ^a	20	2 ^a
无	11	14	16	9	9	7
Dukes						
A期	4	9 ^a	7	6 ^a	4	5 ^a
B期	9	6	12	3	8	2
C期	18	4	20	2	14	2
MVD值						
	43.3 ± 9.6	34.7 ± 8.3 ^a	42.3 ± 9.2	34.4 ± 8.1 ^a	42.6 ± 8.9	34.9 ± 6.2 ^a

^aP < 0.05, ^bP < 0.01 vs 阳性组.

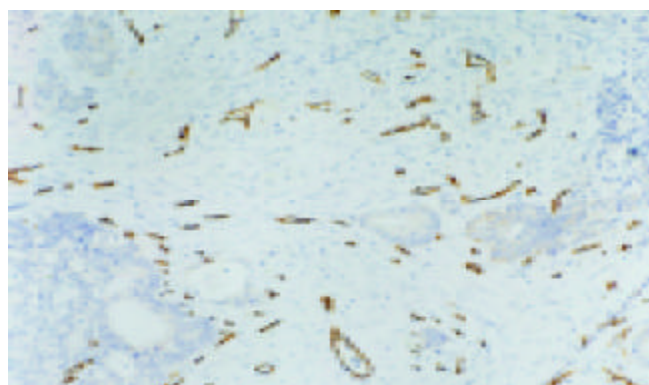


图1 肿瘤微血管.

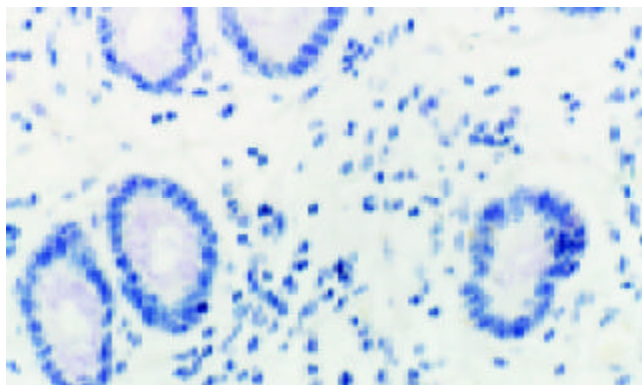


图2 正常c-MYC.

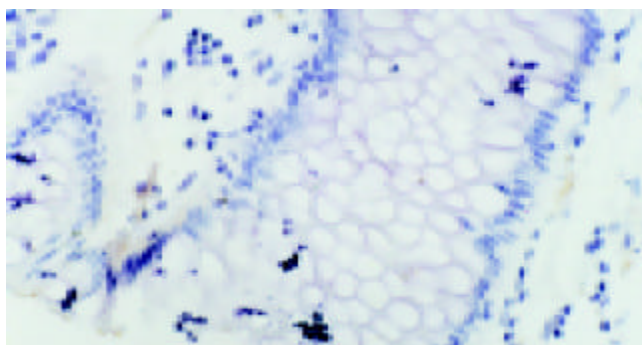


图3 正常VEGF.

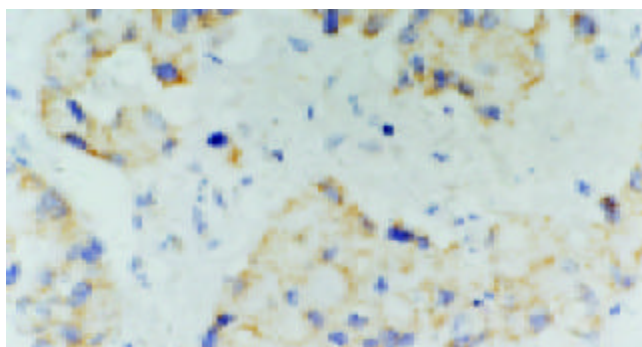


图4 c-MYC阳性×400.

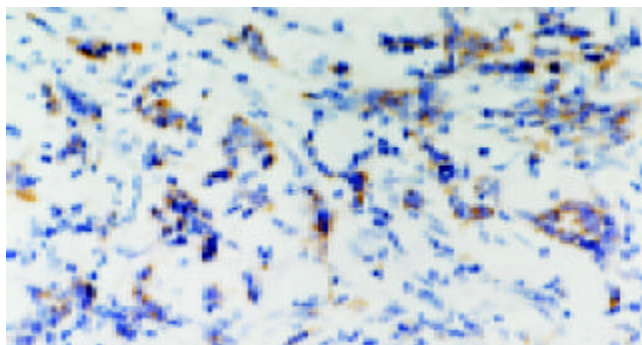


图5 VEGF阳性×400.

3 讨论

在许多肿瘤组织,如大肠癌、乳腺癌、小细胞肺癌、黑色素细胞癌等组织中均能检测到癌基因产物c-MYC的表达增加,并且其与肿瘤的侵袭性、分化及患者的

预后密切相关^[2-5]。近年来, 研究人员发现 c-MYC 活化时也具有促进肿瘤血管生成的作用。Baudino et al^[6]发现, c-MYC^{-/-} 的胚胎干细胞和卵黄囊内皮细胞 VEGF 表达减少, c-Myc^{-/-} 的胚胎有明显的血管生成障碍, 并且 c-MYC^{-/-} 的肿瘤细胞移植到 SCID 鼠后, 形成的肿瘤明显减小。此外 c-MYC^{-/-} 的小鼠的表型与 VEGF 或其受体 Fik-1 缺失的小鼠相似, 并且加入 VEGF 能恢复 c-MYC^{-/-} 的卵黄囊内皮细胞的生长缺陷。此外, Pelengaris et al^[1]发现 c-MYC 活化的转化细胞在恶变成癌时, 能更早的形成血管及发生转移。VEGF 也叫血管通透因子 (VFP), 是一种强效血管生成因子, 可促进血管内皮细胞增生, 提高血管通透性, 改变细胞外基质, 从而促进血管生成。国内外学者^[7-10]研究发现 VEGF 与胃癌、大肠癌、肺癌等多种肿瘤的 MVD、浸润、转移相关, 并且与他们的发生、发展及患者的预后密切相关。经过 VEGF 受体反义核酸处理的胃癌细胞在移植到裸鼠后, 癌细胞凋亡明显增加, 腹腔转移率下降; 并且人化的抗 VEGF 单克隆抗体 (rhuMab VEGF) 与常规化疗药物联合使用治疗已经发生转移的大肠癌患者, 能改善其预后, 延长患者的存活时间^[11-12]。我们的研究提示: c-MYC 与 VEGF 的表达之间存在密切相关性, c-MYC 可能不仅通过促进细胞的增生, 抑制细胞分化而在大肠癌的发生、发展中发挥作用, 而且还能经 VEGF 促进大肠癌血管的生成, 进而有利于大肠癌的生长、转移。同时我们的研究还表明: 并不是所有的 VEGF 的表达都依赖 c-MYC。已有研究^[13-15]发现许多生长因子, 如表皮生长因子 (EGF)、转化生长因子 (TGF- α , TGF- β)、纤维母细胞生长因子 (FGF)、组织因子 (TF) 等均能促进 VEGF mRNA 的表达, 而且 c-MYC 阳性的大肠癌组织, 也有少数的 VEGF 的表达是阴性的, 这充分说明大肠癌发生的复杂性 - 机体的生理功能不是基因、蛋白之间单纯的线性关系决定的, 一种基因或蛋白的表达总是受到许多基因或蛋白的调控, 且一种生理功能也可经由许多不同的途径而产生。但在一个肿瘤患者身上, 可能某一功能的调控途径暂时是固定的, 这鼓励我们应该深入研究他们之间的关系, 从而可以为患者选择更好的个体化治疗方法。

4 参考文献

1 Pelengaris S, Khan M, Evan GI. Suppression of Myc-induced

- apoptosis in beta cells exposes multiple oncogenic properties of Myc and triggers carcinogenic progression. *Cell* 2002;109:321-334
- 2 Cheah PY, Choo PH, Yao J, Eu KW, Seow-Choen F. A survival-stratification model of human colorectal carcinomas with beta-catenin and p27kip1. *Cancer* 2002;95:2479-2486
- 3 Schlagbauer-Wadl H, Griffioen M, Van Elsas A, Schrier PI, Pustelnik T, Eichler HG, Wolff K, Pehameberger H, Janser B. Influence of increased c-Myc expression on the growth characteristics of human melanoma. *J Invest Dermatol* 1999;112:332-336
- 4 Deming SL, Nass SJ, Dickson RB, Trock BJ. C-myc amplification in breast cancer: a meta-analysis of its occurrence and prognostic relevance. *Br J Cancer* 2000;83:1688-1695
- 5 Volm M, Koomagi R. Prognostic relevance of c-Myc and caspase-3 for patients with non-small cell lung cancer. *Oncol Rep* 2000;7:95-98
- 6 Baudino TA, McKay C, Pendeville-Samain H, Nilsson JA, Maclean KH, White EL, Davis AC, Ihle JN, Cleveland JL. c-Myc is essential for vasculogenesis and angiogenesis during development and tumor progression. *Genes Dev* 2002;16:2530-2543
- 7 Song ZJ, Gong P, Wu YE. Relationship between the expression of iNOS, VEGF, tumor angiogenesis and gastric cancer. *World J Gastroenterol* 2002;8:591-595
- 8 Zheng S, Han MY, Xiao ZX, Peng JP, Dong Q. Clinical significance of vascular endothelial growth factor expression and neovascularization in colorectal carcinoma. *World J Gastroenterol* 2003;9:1227-1230
- 9 Lee JC, Chow NH, Wang ST, Huang SM. Prognostic value of vascular endothelial growth factor expression in colorectal cancer patients. *Eur J Cancer* 2000;36:748-753
- 10 Yuan A, Yu CJ, Chen WJ, Lin FY, Kuo SH, Luh KT, Yang PC. Correlation of total VEGF mRNA and protein expression with histologic type, tumor angiogenesis, patient survival and timing of relapse in non-small-cell lung cancer. *Int J Cancer* 2000;89:475-483
- 11 Kamiyama M, Ichikawa Y, Ishikawa T, Chishima T, Hasegawa S, Hamaguchi Y, Nagashima Y, Miyagi Y, Mitsuhashi M, Hyndman D, Hoffman RM, Ohki S, Shimada H. VEGF receptor antisense therapy inhibits angiogenesis and peritoneal dissemination of human gastric cancer in nude mice. *Cancer Gene Ther* 2002;9:197-201
- 12 Kabbavar F, Hurwitz HI, Fehrenbacher L, Meropol NJ, Novotny WF, Lieberman G, Griffing S, Bergsland E. Phase II, randomized trial comparing bevacizumab plus fluorouracil (FU)/leucovorin (LV) with FU/LV alone in patients with metastatic colorectal cancer. *J Clin Oncol* 2003;21:60-65
- 13 Seto S, Onodera H, Kaido T, Yoshikawa A, Ishigami S, Arii S, Imamura M. Tissue factor expression in human colorectal carcinoma: correlation with hepatic metastasis and impact on prognosis. *Cancer* 2000;88:295-301
- 14 Breier G, Blum S, Peli J, Groot M, Wild C, Risau W, Reichmann E. Transforming growth factor- β and Ras regulate the VEGF/VEGF-receptor system during tumor angiogenesis. *Int J Cancer* 2002;97:142-148
- 15 Niu G, Wright KL, Huang M, Song L, Haura E, Turkson J, Zhang S, Wang T, Sinibaldi D, Coppola D, Heller R, Ellis LM, Karras J, Bromberg J, Pardoll D, Jove R, Yu H. Constitutive Stat3 activity up-regulates VEGF expression and tumor angiogenesis. *Oncogene* 2002;21:2000-2008