·前列腺癌MRI研究·

基于 ADC 图的纹理分析在低、高级别前列腺癌诊断中的价值

范婵媛! 闵祥德! Li Quibai² 方俊华! 方志华! 张配配! 冯朝燕! 游慧娟! 王良!

¹ 华中科技大学同济医学院附属同济医院放射科,武汉 430030;²Department of Radiology, University of Texas Southwestern Medical Center at Dallas, Dallas, TX, USA 方俊华现在湖北省枝江市中医医院放射科 443200;方志华现在江西省景德镇市浮梁县 人民(中医)医院放射影像科 333000

通信作者:王良, Email: wang6@tjh.tjmu.edu.cn

【摘要】目的 探讨前列腺ADC 图纹理分析鉴别低、高级别前列腺癌(PCa)的价值。方法 回顾性分析 2015 年 5 月至 2017 年 6 月华中科技大学同济医学院附属同济医院根治术后病理证实为 PCa,根治术前在我院行 MRI 检查的患者,进行常规T₁WI、T₂WI和DWI序列扫描。采用ITK-SNAP软件在 ADC 图上手动逐层勾画 ROI。采用基于 python 的 pyradiomics 包提取 105 个纹理特征。采用组内相关系数(ICC)评估特征可重复性,独立样本 t 检验或 Mann-WhitneyU检验筛选出在低、高级别PCa组间差异有统计学意义的纹理特征。采用 Lasso 回归模型及 5 折交叉验证法对特征进行进一步的筛选和建模,采用 ROC 曲线评估模型诊断效能。结果 纳入低级别 PCa 患者 34 例,高级别 PCa 患者 56 例。筛选出 3 个系数非零纹理特征,分别为第 10 百分位数、中位数及主轴长度。构建的模型鉴别低、高级 PCa 的 ROC 下面积为 0.841,敏感度为 69.6%,特异度为 91.2%。优于单一纹理特征和传统的平均 ADC 值。结论 前列腺 MR ADC 图纹理分析可用于鉴别低、高级别 PCa。

【关键词】 前列腺肿瘤; 纹理分析; 磁共振成像 基本项目:国家自然科学基金(81171307,81671656) DOI:10.3760/cma.j.issn.1005-1201.2019.10.013

Discriminating low grade from high grade prostate cancer based on MR apparent diffusion coefficient map texture analysis

Fan Chanyuan¹, Min Xiangde¹, Li Qiubai², Fang Junhua¹, Fang Zhihua¹, Zhang Peipei¹, Feng Chaoyan¹, You Huijuan¹, Wang Liang¹

¹Department of Radiology, Tongji Hospital, Tongji Medical College, Huazhong University of Science and Technology, Wuhan 430030, China;²Department of Radiology, University of Texas Southwestern Medical Center at Dallas, Dallas, TX, USA

Fang Junhua Now Works in Department of Radiology, Traditional Chinese Medicine Hospital of Zhijiang City, Hubei Province, Zhijiang 443200, China; Fang Zhihua Now Works in Department of Radiology, the People's Hospital (Traditional Chinese Medicine) of Fuliang County, Jingdezhen City, Jiangxi Provicne, Jingdezhen 333000, China

Corresponding author: Wang Liang, Email: wang 6@tjh.tjmu.edu.cn

[Abstract] Objective To investigate the value of texture analysis based on MR ADC map of prostate in differentiating between low-grade and high-grade prostate cancer (PCa). **Methods** PCa confirmed by pathology after radical prostatectomy were analyzed retrospectively, all patients underwent multiparametric MRI before radical prostatectomy, including T_1WI, T_2WI and DWI. On the ADC map, ROI was drawn manually to encompass the whole tumor by ITK-SNAP software. The python-based pyradiomics package was used to extract 105 texture features. The intraclass correlation coefficient was used to evaluate the repeatability of the texture features. The independent sample *t* test or Mann-Whitney *U* test was used to exclude features that had no significant difference between low grade and high grade PCa. Lasso regression

model and 5 fold cross validation method were used to obtain texture feature combination of the highest performance and develop a classification model for discriminating low from high grade PCa. ROC curve was used to evaluate the diagnostic efficiency of the model. **Result** Ninety patients with PCa confirmed by pathology after radical prostatectomywere analyzed retrospectively, including 36 patients with low-level PCa ($GS \leq 3+4$) and 54 patients with high-level PCa ($GS \geq 4+3$). The area under curve of the model was 0.841, with sensitivity 69.6% and specificity 91.2%, which was significantly higher than single texture feature or traditional mean ADC value. **Conclusion** Texture analysis based on MRI-ADC map of prostate could be used to discriminate low grade PCa from high grade PCa.

[Key words] Prostatic neoplasms; Texture analysis; Magnetic resonance imaging **Fund program:** National Natural Science Foundation of China (81171307, 81671656) DOI:10.3760/cma.j.issn.1005-1201.2019.10.013

前列腺癌(prostate cancer, PCa)是男性癌症死 亡的最常见原因,近年来,我国PCa的发病率和死 亡率逐年上升,增长率位居男性恶性肿瘤之首[1]。 PCa可分为低级别PCa和高级别PCa,二者的治疗 方法和预后有很大的不同,治疗前鉴别低、高级别 PCa 具有重要意义[2]。多参数磁共振 (multiparametric magnetic resonance imaging, mp-MRI)是诊断 PCa 的首选影像学方法, DWI 是 mp-MRI的重要组成序列,其定量参数ADC值可以 量化评估水分子扩散的速度^[3]。ADC值在鉴别低、 高级PCa方面具有良好的效能,但以往的研究多是 基于平均 ADC 值或基于 ADC 直方图等有限的定量 参数[45]。纹理分析能够从图像中提取海量的定量 信息,在鉴别肺鳞癌和肺腺癌、脑胶质母细胞瘤和 单发转移瘤等方面具有良好的效能[67]。纹理分析 可能会提高DWI鉴别低、高级PCa的诊断效能。目 前,基于T₂WI图^[8]的纹理分析已应用于PCa的分级 中,尚缺少基于MRI定量图像的纹理分析研究。笔 者旨在探讨前列腺 MR ADC 纹理分析鉴别低、高级 别PCa的价值。

资料与方法

一、临床资料

回顾性分析2015年5月至2017年6月华中科 技大学同济医学院附属同济医院符合以下标准的 患者。纳入标准:(1)根治术后病理证实为PCa; (2)根治术前在我院行MRI检查,至少包括常规 MRI序列及DWI序列;(3)MRI检查前未行治疗,如 前列腺手术、放疗、内分泌治疗等。排除标准: (1)图像伪影较重影响诊断;(2)病理结果证实为 PCa,但MRI图像上癌灶显示不明显,或癌灶太小, 少于3个层面;(3)MRI检查前4~6周内曾行前列腺 穿刺。

二、检查方法

采用德国 Siemens 3.0 T Skyra MR 扫描仪, 射频 发射线圈为体线圈, 接收线圈为腹部 32 通道相控 阵线圈。扫描前患者适度充盈膀胱, 取仰卧, 扫描 中心定位于耻骨联合上方 2 cm。扫描序列包括平 扫轴面、矢状面和冠状面T₂WI, 轴面T₁WI 以及轴面 DWI 序列。扫描参数:(1) T₂WI: TR 6 500~ 6 880 ms, TE 104 ms, 层厚 3 mm, 无间距扫描, FOV 180 mm×180 mm, 矢状面矩阵 384×307, 冠状面和 横轴面矩阵 384×346, 反转角 160°。(2) T₁WI: TR 807 ms, TE 13 ms, 层厚 5 mm, 无间距扫描, FOV 300 mm×356 mm, 矩阵 320×285, 反转角 160°。 (3) DWI 序列: TR 4 300 ms, TE 78 ms, 层厚 3 mm, 无间距扫描, FOV 215 mm×172 mm, 矩阵 90×72, 反 转角 90°。b=0、100、700、1 400、2 100 s/mm²。 ADC 图由 MR 扫描仪采用标准单指数模型自动生成。

三、图像分析

将所有患者的 MRI 图像以 DICOM 格式从 PCAS 工作站导出并存储。使用 ITK-SNAP 软件 (www.itksnap.org),由1名医师(从事前列腺 MRI 研 究时间3年)在不知晓 Gleason 评分的情况下,参照 T₂WI 低信号及 DWI 高信号,在 ADC 图上围绕全肿 瘤病灶手动逐层绘制 ROI,避开尿道、囊变、钙化、 出血。若同时存在2个或2个以上不相邻癌灶,选 取最大的癌灶^[9](图 1~6)。为了评估2名测量者间 的一致性,任意选出30 例患者,由另1名医师(从事 前列腺 MRI 研究时间5年)参照以上规则再次绘制 ROI。

纹理分析采用基于 python 的 pyradiomics包 (https://github.com/Radiomics/pyradiomics)提取定 量影像特征^[10],包括灰度直方图(histogram)特征18 个,灰度共生矩阵(the gray-level co-occurrence matrix,GLCM)特征23个,灰度游程矩阵(grey level run length matrix,GLRLM)特征16个,灰度分差矩 阵(grey level differential matrix, GLDM)特征14个, 灰度区域大小矩阵(gray-level size zone matrix, GLSZM)特征16个,附近灰色调差矩阵 (neighborhood grey tone difference matrix, NGTDM) 特征5个以及形态(shape)特征13个,共105个纹理 特征^[11]。

四、统计学分析

采用R软件(3.5.1版本,http://www.R-project. org)进行特征筛选和模型构建。采用组内相关系 数(intraclass correlation coefficient,ICC)评价2名测 量者间特征一致性,ICC>0.80为一致性良好。进一 步采用Kolmogorov-Smirnov检验评价纹理特征是否 符合正态分布,采用Levene检验进行方差齐性检 验。正态分布且方差齐的纹理特征采用两独立样 本t检验比较低、高级别PCa组间差异,方差不齐者 采用校正的t检验;不符合正态分布者采用非参数 Mann-WhitneyU检验。采用Lasso回归模型及5折 交叉验证筛选出鉴别低、高级别PCa诊断效能最高 的纹理特征组合,采用logistic回归构建鉴别鉴别 低、高级别PCa的模型。采用ROC评价模型的诊断 效能。所有检验水准为P<0.05。

结 :

一、患者资料

最终纳入90例PCa患者,年龄(66.6±7.4)岁, 前列腺特异性抗原(prostate specific antigen, PSA) 为(45.46±66.21)ng/ml。低级别PCa患者34例,年 龄(67.8±6.7)岁,PSA为(24.51±20.51)ng/ml;高级 别PCa患者56例,年龄(65.8±7.8)岁,PSA为 (58.19±80.03)ng/ml。

二、参数筛选及模型建立

在所提取的105个纹理特征中,ICC介于0.43~ 0.99,删除16个ICC<0.8的纹理特征。一致性良好的89个纹理特征中,经t检验或Mann-WhitneyU检验,有66个纹理特征在低、高级别PCa组间差异有统计学意义,删除23个在低、高级别PCa组间差异无统计学意义的纹理特征。对初步筛选后的纹理特征进行Lasso回归及5折交叉验证(图7,8),筛选出3个系数非零纹理特征,分别为第10百分位数、中位数以及主轴长度。最终构建logstic回归模型为:Y=0.560-0.080×第10百分位数-0.185×中位数+0.600×主轴长度。

三、模型效能评估

构建的模型鉴别低、高级 PCa 的 ROC 下面积为 0.841,敏感度为69.6%,特异度为91.2%。在低、高 级别 PCa 组间差异有统计学意义的66个纹理参数 中,单独用于鉴别低、高级别 PCa,诊断效能最高的 为主轴长度,ROC 下面积为0.790。平均 ADC 值单 独用于诊断低、高级别 PCa 的 ROC 下面积为0.685, 均小于模型的诊断效能(表1)。

表1 模型和部分纹理特征鉴别诊断低、 高级别前列腺癌的效能

纹理特征	É	ROC下面积	敏感度(%)	特异度(%)
模型		0.841	69.6	91.2
主轴长度	£	0.790	71.4	82.4
第10百分	分位数	0.706	66.1	67.6
中位数		0.693	60.7	76.5
平均数		0.685	58.9	79.4

论

一、PCa病理分级

PCa病理分级与治疗及预后密切相关。尽管 大多数研究将 Gleason 分级(GS)≤3+3 作为低级别 PCa,GS≥7作为高级别PCa,但近年来,越来越多的 研究表明,GS为3+4类型PCa在确诊时发生转移的 概率、10年内癌症特异性死亡率、根治术后生化复 发的概率都更接近于GS 3+3类型 PCa^[12-14]。指南 建议,GS≤3+4类型的PCa建议行动态监测,可避免 根治性切除术后勃起功能障碍、术后尿失禁等并发 症,提高患者的生活质量;而GS≥4+3类型的PCa应 采取更加积极的治疗策略,如根治性切除、内分泌 治疗或放化疗等,以延长患者生存时间[2]。因此, 治疗前鉴别GS≤3+4和GS≥4+3类型PCa具有重要 临床意义。笔者结合以往的研究及最新指南,将 PCa分为低级别PCa组(GS≤3+4)和高级别PCa组 (GS≥4+3),以评估前列腺MR ADC 图纹理特征鉴 别低、高级别PCa价值。

二、DWI及ADC图的在PCa侵袭性评估中的价值

DWI及其定量参数ADC图可无创反映组织内 水分子扩散状态,在疾病鉴别诊断中具有重要价 值。前列腺影像报告和数据系统指南也肯定了 DWI序列在PCa诊断中的重要作用^[3]。以往研究 表明,ADC值与PCa的GS评分有显著相关性,但以 往研究多是基于平均ADC值,平均ADC值在鉴别 低、高级别PCa时仍有较大的重叠^[13,15]。基于ADC



图1~6前列腺癌(PCa)ROI勾画示意图。图1~3为同一低级别PCa患者,病灶位于左侧外周带。图1为轴面ADC图,图2为轴面T₂WI,图3 为轴面DWI。图4~6为同一高级别PCa患者,病灶位于右侧外周带。图4为轴面ADC图,图5为轴面T₂WI,图6为轴面DWI。癌灶在T₂WI 呈低信号,DWI示高信号,ADC图呈相应低信号,参照T₂WI,在ADC图上沿肿瘤边缘手动勾画ROI。避开尿道 **图7,8**对初步筛选后的 纹理特征进行Lasso回归及5折交叉验证,λ与模型检验效能(图7)和变量解析路径(图8)结果显示,筛选出3个系数非零纹理特征,分别为 第10百分位数、中位数以及主轴长度

图的直方图分析显示,第10百分位数 ADC 值在鉴 别低、高级别 PCa 的诊断效能优于传统平均 ADC 值 (ROC 下面积分别为 0.758、0.692)^[5]。但直方图分 析仅提供少数定量特征,进一步的深度挖掘可能会 提高 ADC 图鉴别高、低级别 PCa 的效能。

三、纹理特征与模型

纹理分析能够提供丰富的定量特征,在疾病诊 断和评估中具有良好的应用前景[16-18]。本研究基 于ADC图,从PCa灶中提取105个纹理特征,通过 Lasso回归模型进行特征筛选并构建鉴别低、高级 别PCa的诊断模型。最终中位数、第10百分位数 及主轴长度3个特征纳入模型。第10百分位数代 表 ROI 内最致密部分的 ADC 值。在直方图参数 中,第10百分位数与PCa的GS评分相关性最强,高 于平均 ADC 值^[5,19]。中位数反映整个 ROI 内 ADC 值的平均水平,不受ROI勾画时极值(如ROI内正 常前列腺组织)的影响。主轴长度又称肿瘤最大 径,与肿瘤的大小有关,是良恶性肿瘤鉴别、肿瘤治 疗反应监测及预后评估的重要指标^[20-21]。本研究 中构建的模型诊断低、高级别PCa的ROC下面积为 0.841,敏感度为69.6%,特异度为91.2%,ROC下面 积高于平均ADC值和单一纹理特征。可能是基于 以下原因:首先,本研究中采用的是纹理分析的方

法,传统的平均 ADC 值不能反映病灶的异质性,而 直方图提供的定量特征有限,纹理分析通过对图像 进行深入挖掘,能够发现潜在的有价值的信息;其 次,笔者从大量纹理特征中筛选出鉴别高、低级别 PCa最优的特征组合,相比于单一纹理特征,模型 联合多个特征因素,能够提供更加"鲁棒"和精确的 诊断效能。

四、研究局限性及展望

本研究尚存在一定的局限性:(1)由于样本量 有限,未能构建验证集对模型进行进一步验证,但 笔者在参数筛选时,采用5折交叉验证的方法,可 以一定程度上避免模型过度拟合^[22-23]。(2)为了保 障GS评分的准确性,仅纳入行根治手术的患者,可 能会导致选择性偏倚。(3)考虑到肿瘤体积较大时, 常跨越外周带及移行带,且样本量有限,并未将外 周带 PCa 及移行带 PCa 分开探讨,因此,下一步研 究中可扩大样本量,对外周带 PCa 及移行带 PCa 分 类讨论。

综上所述, PCa MR ADC 图纹理分析可用于治 疗前无创鉴别低、高级别 PCa, 对临床 PCa 诊疗方式 的确定和预后评估具有重要价值。 利益冲突 所有作者均声明不存在利益冲突

参考文献

- Chen W, Zheng R, Baade PD, et al. Cancer statistics in China, 2015[J]. CA Cancer J Clin, 2016, 66(2): 115-132. DOI: 10.3322/caac.21338.
- [2] Chen RC, Rumble RB, Loblaw DA, et al. Active surveillance for the management of localized prostate cancer (cancer care ontario guideline): American Society of Clinical Oncology Clinical Practice Guideline endorsement[J]. J Clin Oncol, 2016, 34(18): 2182-2190. DOI:10.1200/JCO.2015.65.7759.
- [3] Weinreb JC, Barentsz JO, Choyke PL, et al. PI-RADS prostate imaging -reporting and data system: 2015, Version 2[J]. Eur Urol, 2016, 69(1): 16-40. DOI:10.1016/j.eururo.2015.08.052.
- Jie C, Rongbo L, Ping T. The value of diffusion-weighted imaging in the detection of prostate cancer: a meta-analysis[J]. Eur Radiol, 2014, 24(8): 1929-1941. DOI: 10.1007 / s00330-014-3201-2.
- [5] Donati OF, Mazaheri Y, Afaq A, et al. Prostate cancer aggressiveness: assessment with whole-lesion histogram analysis of the apparent diffusion coefficient[J]. Radiology, 2014, 271(1): 143-152. DOI:10.1148/radiol.13130973.
- [6] Zhu X, Dong D, Chen Z, et al. Radiomic signature as a diagnostic factor for histologic subtype classification of non-small cell lung cancer[J]. Eur Radiol, 2018, 28(7): 2772-2778. DOI:10.1007/s00330-017-5221-1.
- [7] 王敏红, 冯湛. 瘤周水肿常规 MRI 纹理分析鉴别脑胶质母 细胞瘤和单发转移瘤的价值[J]. 中华放射学杂志, 2018,10 (52):756-760.DOI:10.3760/cma.j.issn.1005-1201.2018.10.007.
- [8] Nketiah G, Elschot M, Kim E, et al. T₂-weighted MRI-derived textural features reflect prostate cancer aggressiveness: preliminary results[J]. Eur Radiol, 2017, 27(7): 3050-3059. DOI:10.1007/s00330-016-4663-1.
- [9] Lavdas I, Rockall AG, Daulton E, et al. Histogram analysis of apparent diffusion coefficient from whole-body diffusion-weighted MRI to predict early response to chemotherapy in patients with metastatic colorectal cancer: preliminary results[J]. Clin Radiol, 2018, 73(9): 832. e9-832. e16. DOI:10.1016/j.crad.2018.04.011.
- [10] van Griethuysen JJM, Fedorov A, Parmar C, et al. Computational radiomics system to decode the radiographic phenotype[J]. Cancer Res, 2017, 77(21): e104-e107. DOI: 10.1158/0008-5472.CAN-17-0339.
- [11] Zhou B, Xu J, Tian Y, et al. Correlation between radiomic features based on contrast-enhanced computed tomography images and Ki-67 proliferation index in lung cancer: a preliminary study[J]. Thorac Cancer, 2018, 9(10): 1235-1240. DOI:10.1111/1759-7714.12821.
- [12] Starobinets O, Simko JP, Kuchinsky K, et al. Characterization and stratification of prostate lesions based on comprehensive

multiparametric MRI using detailed whole-mount histopathology as a reference standard[J]. NMR Biomed, 2017, 30(12). DOI:10.1002/nbm.3796.

- [13] Kamel MH, Khalil MI, Alobuia WM, et al. Incidence of metastasis and prostate-specific antigen levels at diagnosis in Gleason 3+4 versus 4+3 prostate cancer[J]. Urol Ann, 2018, 10(2): 203-208. DOI:10.4103/UA.UA_124_17.
- [14] Wright JL, Salinas CA, Lin DW, et al. Prostate cancer specific mortality and Gleason 7 disease differences in prostate cancer outcomes between cases with Gleason 4+ 3 and Gleason 3+ 4 tumors in a population based cohort[J]. J Urol, 2009, 182(6): 2702-2707. DOI:10.1016/j.juro.2009.08.026.
- [15] Wong LM, Tang V, Peters J, et al. Feasibility for active surveillance in biopsy Gleason 3 + 4 prostate cancer: an Australian radical prostatectomy cohort[J]. BJU Int, 2016, 117 Suppl 4(): 82-87. DOI:10.1111/bju.13460.
- [16] Li Z, Yu L, Wang X, et al. Diagnostic performance of mammographic texture analysis in the differential diagnosis of benign and malignant breast tumors[J]. Clin Breast Cancer, 2018, 18(4): e621-e627. DOI:10.1016/j.clbc.2017.11.004.
- [17] 张利文,方梦捷,臧亚丽,等.影像组学的发展与应用[J].中 华放射学杂志,2017,1(51):75-77.DOI: 10.3760/cma.j. issn.1005-1201.2017.01.017.
- [18] 刘士远, 萧毅. 基于深度学习的人工智能对医学影像学的 挑战和机遇[J]. 中华放射学杂志, 2017, 12(51): 899-901. DOI: 10.3760/cma.j.issn.1005-1201.2017.12.002.
- [19] Wang Q, Li H, Yan X, et al. Histogram analysis of diffusion kurtosis magnetic resonance imaging in differentiation of pathologic Gleason grade of prostate cancer[J]. Urol Oncol, 2015, 33(8): 337. e15-337. e24. DOI: 10.1016 / j. urolonc.2015.055.005.
- [20] Thamronganantasakul K, Pesee M, Krusun S, et al. Maximum diameter of intracranial metastatic lesions as a prognostic factor in patients following whole brain radiotherapy[J]. Asian Pac J Cancer Prev, 2016, 17(7): 3495-3498.
- [21] Choi WJ, Kim WK, Shin HJ, et al. Evaluation of the tumor response after neoadjuvant chemotherapy in breast cancer patients: correlation between dynamic contrast-enhanced magnetic resonance imaging and pathologic tumor cellularity [J]. Clin Breast Cancer, 2018, 18(1): e115-e121. DOI:10.1016/ j.clbc.2017.08.003.
- [22] Shao Y, Chen Z, Ming S, et al. Predicting the development of normal-appearing white matter with radiomics in the aging brain: a longitudinal clinical study[J]. Front Aging Neurosci, 2018, 10(): 393. DOI:10.3389/fnagi.2018.00393.
- [23] Friedman J, Hastie T, Tibshirani R. Regularization Paths for generalized linear models via coordinate descent[J]. J Stat Softw, 2010, 33(1): 1-22.

(收稿日期:2019-01-07) (本文编辑:张晓冬)