

植物保护学报

第48卷 第6期

目次

植保组学专刊

文献综述

- 组学,是数据,是工具,更是新的思路 李 飞 (1195)
温度影响下斑潜蝇种间竞争取代的分子机制研究进展 常亚文 王禹程 龚伟荣 杜予州 (1199)
脱落酸受体调控剂分子设计的研究进展 陈慧敏 郝格非 (1208)

研究论文

- 昆虫基因组组装大小偏差的原因解析 丛宇阳 贺 康 舒润国 程梓淇 陈 昊 王亚琴 李 飞 (1217)
中国及欧洲各国的苹果蠹蛾种群遗传多样性分析 尹传林 曹梦宇 范月圆 杨念婉 陈茂华 李 飞 万方浩 (1226)
鳞翅目昆虫迁飞相关基因的鉴定及进化分析 赵现馨 胡嘉行 杨亚军 贺 康 吕仲贤 徐红星 (1235)
云南省四个草地贪夜蛾种群肠道细菌群落多样性及差异分析 刘 莹 赵雪晴 尹艳琼 李向永 陈福寿 张红梅 王 燕 湛爱东 (1244)
草地贪夜蛾肠道微生物宏基因组初步分析 叶国浚 相 辉 冯启理 陈 霁 (1254)
草地贪夜蛾 CRAL_TRIO 结构域基因家族的基因组鉴定及其表达特征分析 肖开然 桂富荣 朱家颖 (1262)
草地贪夜蛾 Bt 抗性相关 lncRNA 的预测及分析 肖花美 彭睿智 陈锦宏 (1273)
斜纹夜蛾四龄幼虫暴食相关基因的鉴定和通路分析 张 赞 彭莉舒 李 坤 钱 坤 相 栋 何 林 (1281)
基于稻纵卷叶螟触角转录组的羧酸酯酶类气味降解基因 *CXE66* 鉴定及其表达谱 李 尧 王楚楚 杜海涛 唐庆东 潘秦剑 刘 芳 (1291)
有翅型和无翅型小麦禾谷缢管蚜转录组差异分析 鲁艳辉 虞飞博 郭嘉雯 田俊策 郑许松 吕仲贤 (1303)
小菜蛾三类主要化感受体基因的虫态、组织和性别表达特异性分析 苗春丽 侯 雯 董双林 (1310)
梨小食心虫雄成虫、蛹和幼虫的转录组比较分析 李亦松 杜兴辉 张子旭 蔡登鑫 (1320)
采用 MiSeq 测序技术分析不同处理沟叩甲肠道微生物群落结构 张珏锋 李 芳 钟海英 陈建明 (1331)
不同色型异色瓢虫转录组差异表达基因分析 陈 旭 陈梦瑶 王 甦 臧连生 肖 达 (1341)
异色瓢虫与七星瓢虫细胞色素 P450、抗菌肽和溶菌酶基因的鉴定及表达分析 张超维 陈梦瑶 王亚琴 周 行 (1351)
牧草优势寄生性天敌伞裙追寄蝇滞育相关蛋白分析 韩海斌 姜 珊 林克剑 徐林波 张 博 刘长仲 刘爱萍 高书晶 (1359)
二化螟响应 Bt 杀虫蛋白 Cry1Ca 的小 RNA 转录组分析 李真真 姚焯天 马康生 马伟华 张 伟 (1370)
MEAM1 和 MED 两个烟粉虱隐种取食对甘蓝转录组影响的差异 胡 杰 卢靖天 付培艺 彭 宇 焦晓国 张友军 (1380)
饥饿胁迫下黑肩绿盲蝽转录组分析及 *S6K* 基因功能分析 陈 宇 郑 随 朱好文 张杰钰 王怀奇 郗川源 陈嘉生 戈林泉 (1387)
西花蓟马对高低温胁迫响应的转录组分析 袁嘉雯 秦 晶 魏 然 谢洪芳 杜予州 (1400)
害虫对 Bt 杀虫蛋白抗性相关受体蛋白互作网络分析 王 奎 王泽宇 束长龙 张 杰 (1411)
沃尔巴克氏体感染对黑腹果蝇头部转录组的影响 陈梦岩 王智凝 许凤贞 冯怡玮 喻琼琳 王玉凤 (1422)
柑橘大实蝇低覆盖度基因组及其分析 何 容 王书平 王 涛 许佳丹 滕 凯 王寅鹏 贺 康 李 飞 (1429)
两种产卵引诱物质刺激下橘小实蝇雌成虫的转录组分析 陶 勇 杨雅慧 袁诗宇 栗洪飞 王进军 蒋红波 (1438)
四种钙结合蛋白基因在沙葱萤叶甲幼虫生长发育中的作用 李 玲 李 爽 李 娜 庞保平 (1447)
两株茶尺蠖核型多角体病毒毒株对灰茶尺蠖的毒力及基因组差异 张欣欣 梅 洋 李 红 唐美君 贺 康 肖 强 (1457)
基于链特异性 RNA-seq 的禾谷镰刀菌全生活史转录组分析 曹心雨 李东翱 路 平 王秦虎 江 聪 刘慧泉 (1466)
橡胶树白粉菌侵染过程转录组学分析 纪晓贝 梁 鹏 刘文波 李 潇 陈代朋 李志刚 缪卫国 (1479)
基于转录组分析的九种苍耳分子标记筛选和鉴定 王书平 梅 洋 傅怡宁 田 雯 蒋费涛 李 昂 张 宁 王寅鹏 印丽萍 (1488)
沼泽红假单胞菌 PSB-06 菌剂对番茄褪绿病的防效及其作用机制 张煜琦 刘 勇 陈应凤 曾 军 贺东方 方守国 (1496)
靶向乙酰胆碱酯酶和几丁质合成酶杀虫剂衍生化合物三维定量构效关系模型构建 李睿驰 刘吉元 (1508)

封面照片: 稻纵卷叶螟 *Cnaphalocrocis medinalis* (Guenée) 虞国跃 摄

JOURNAL OF PLANT PROTECTION

2021 Vol. 48 No. 6

CONTENTS

Special Issue for Omics in Plant Protection

Reviews

- The omics way of thinking: more than data and tools Li Fei (1195)
Research progress in the molecular mechanism of interspecific competition and substitution of leaf miner flies *Liriomyza* species under the influence of temperature Chang Yawen, et al. (1199)
Research progress in molecular design of abscisic acid receptor modulators Chen Huimin, et al. (1208)

Research reports

- The causes for the discrepancy between insect genome sizes estimated by flow cytometry and genome assembling Cong Yuyang, et al. (1217)
Population genomic analysis of codling moth *Cydia pomonella* from China and Europe Yin Chuanlin, et al. (1226)
Identification and evolutionary analysis of migration-related candidate genes in lepidopteran insects Zhao Xianxin, et al. (1235)
Differences in the diversity and community structure of intestinal bacteria in four geographic populations of fall armyworm *Spodoptera frugiperda* in Yunnan Province Liu Ying, et al. (1244)
Preliminary metagenomic analysis of gut microorganisms in fall armyworm *Spodoptera frugiperda* larvae Ye Guojun, et al. (1254)
Genome-wide identification and expression analysis of the CRAL_TRIO domain gene family in fall armyworm *Spodoptera frugiperda* Xiao Kairan, et al. (1262)
Genome-wide identification and analysis of long non-coding RNA genes related to Bt resistance in fall armyworm *Spodoptera frugiperda* Xiao Huamei et al. (1273)
Identification and pathway analysis of genes related to binge eating in taro caterpillar *Spodoptera litura* 4th instar larvae Zhang Zan, et al. (1281)
Identification and expression profiling of carboxylesterase gene *CXE66* in rice caseworm *Cnaphalocrocis medinalis* antennae by transcriptomic sequencing Li Yao, et al. (1291)
Analysis of transcriptomic differences between winged and wingless bird cherry-oat aphid *Rhopalosiphum padi* on wheat Lu Yanhui, et al. (1303)
Developmental stage-, tissue- and sex-specific expression of three major chemoreceptor gene families in diamondback moth *Plutella xylostella* Miao Chunli, et al. (1310)
Comparative analysis of transcriptomes of male adult, pupa and the 4th-instar larva of the oriental peach moth *Grapholita molesta* Li Yisong, et al. (1320)
MiSeq sequencing analysis of microbial communities in gut of canaliculated wireworm *Pleonomus canaliculatus* with different treatments Zhang Juefeng, et al. (1331)
Analyses of differentially expressed genes in transcriptomes of multicolored Asian lady beetle *Harmonia axyridis* with different color patterns Chen Xu, et al. (1341)
Identification and expression analysis of cytochrome P450, antimicrobial peptide and lysozyme genes in multicolored Asian lady beetle *Harmonia axyridis* and seven-spotted lady beetle *Coccinella septempunctata* Zhang Chaowei, et al. (1351)
Proteomic analysis of diapause proteins in the dominant parasitoid tachinid fly *Exorista civilis* Han Haibin, et al. (1359)
Transcriptome analysis of small RNAs in response to Bt insecticidal protein Cry1Ca in Asiatic rice borer *Chilo suppressalis* Li Zhenzhen, et al. (1370)
Differences in the transcriptomes of *Brassica oleracea* leaves infested by MEAM1 and MED cryptic species of tobacco whitefly *Bemisia tabaci* Hu Jie, et al. (1380)
Transcriptome analysis and functional analysis of *S6K* gene in *Cyrtorhinus lividipennis* under starvation stress Chen Yu, et al. (1387)
Transcriptome analysis of responses of western flower thrips *Frankliniella occidentalis* to high and low temperature stresses Yuan Jiawen, et al. (1400)
Network analysis of proteins interacting with receptors related to resistance to *Bacillus thuringiensis* pesticidal proteins Wang Kui, et al. (1411)
Effect of *Wolbachia* infection on the head transcriptome of *Drosophila melanogaster* Chen Mengyan, et al. (1422)
The low-coverage genome of Chinese citrus fruit fly *Bactrocera minax* and its analysis He Rong, et al. (1429)
Transcriptome analysis of female oriental fruit fly *Bactrocera dorsalis* under the stimulation of two oviposition attractants Tao Yong, et al. (1438)
Effects of four calcium-binding protein genes on the growth and development of *Galeruca daurica* larvae (Coleoptera: Chrysomelidae) Li Ling, et al. (1447)
Differences in virulence and genomics of two *Ectropis obliqua* nucleopolyhedrovirus strains to *Ectropis griseescens* Zhang Xinxin, et al. (1457)
Transcriptome analysis of ascomycete fungal pathogen *Fusarium graminearum* at different life-cycle stages using strand-specific RNA-seq Cao Xinyu, et al. (1466)
Transcriptome analysis of powdery mildew fungus *Erysiphe quercicola* during infection of rubber tree Ji Xiaobei, et al. (1479)
Identification of molecular markers of nine *Xanthium* weed plants based on transcriptome analysis Wang Shuping, et al. (1488)
Control efficacy and mechanism of fungicide *Rhodopseudomonas palustris* PSB-06 on tomato chlorosis virus Zhang Yuqi, et al. (1496)
Construction of two 3D-QSAR models for insecticide-derived compounds targeting acetylcholinesterase and chitin synthase Li Ruichi, et al. (1508)